

Point calculation	Receiver point: 102 Kelsterton Road X = -163,00 Variant: CT Scenario A	Y = -358,00	Emission variant: Day Z = 10,03
-------------------	--	-------------	------------------------------------

Noise prediction		16 Hz	31,5 Hz	63 Hz	125 Hz	250 Hz	500 Hz	1000 Hz	2000 Hz	4000 Hz	8000 Hz	L
Element	Label	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	/dB(A)
FLQi105	CTpotU2B5	43,0	37,9	29,0	21,9	31,0	18,6	16,8	1,1	-35,1	29,0	
FLQi110	CTpotU2B4	42,8	37,7	28,9	21,8	30,8	18,4	16,5	0,6	-36,5	28,8	
FLQi115	CTpotU2B3	42,6	37,5	28,6	21,5	30,6	18,1	16,2	0,0	-37,8	28,6	
FLQi120	CTpotU2B2	42,4	37,3	28,4	21,6	30,5	18,1	16,1	-0,3	-38,9	28,5	
FLQi125	CTpotU2B1	42,2	37,1	28,2	21,1	30,1	17,6	15,6	-1,0	-40,4	28,1	
FLQi130	CTpotU2A1	41,9	36,8	27,8	20,9	29,3	16,5	14,0	-3,3	-43,9	27,3	
FLQi135	CTpotU2A2	41,6	36,3	27,0	20,5	27,0	13,0	8,9	-10,4	-54,0	24,9	
FLQi140	CTpotU2A3	41,5	36,3	27,2	20,4	28,0	14,6	12,0	-7,0	-51,4	26,0	
FLQi145	CTpotU2A4	41,3	36,1	26,9	20,1	27,6	14,0	10,4	-8,9	-53,9	25,5	
FLQi150	CTpotU2A5	41,1	35,9	26,7	20,0	27,2	13,6	9,8	-9,8	-55,5	25,1	
FLQi155	CTpotU1B5	39,1	32,3	21,2	13,1	18,0	2,8	0,7	-15,7	-54,3	16,5	
FLQi160	CTpotU1B4	39,6	33,0	22,0	13,9	18,7	3,4	0,4	-16,1	-55,4	17,2	
FLQi165	CTpotU1B3	39,7	33,2	22,3	14,4	19,2	3,9	0,1	-16,6	-56,6	17,6	
FLQi170	CTpotU1B2	41,2	35,9	26,7	19,6	28,2	15,5	13,4	-3,6	-44,5	26,2	
FLQi175	CTpotU1B1	41,6	36,5	27,5	20,6	29,1	16,3	13,7	-4,0	-46,3	27,0	
FLQi180	CTpotU1A1	41,3	36,1	26,9	20,4	27,3	13,4	9,4	-10,1	-55,0	25,2	
FLQi185	CTpotU1A2	41,2	36,0	26,9	20,3	27,7	14,1	10,4	-9,0	-54,3	25,5	
FLQi190	CTpotU1A3	41,0	35,9	26,8	20,1	27,9	14,7	11,3	-8,0	-53,8	25,8	
FLQi195	CTpotU1A4	40,9	35,8	26,7	19,9	27,8	14,5	11,2	-8,2	-54,7	25,7	
FLQi200	CTpotU1A5	40,7	35,5	26,4	19,7	27,2	13,7	10,1	-9,8	-57,4	25,1	
FLQi005	CTpotU4B5	41,0	34,8	24,8	7,9	2,1	-0,5	-0,5	-7,2	-38,1	13,0	
FLQi010	CTpotU4B4	40,7	34,6	24,0	7,2	1,4	-1,3	-1,5	-8,6	-40,6	12,4	
FLQi015	CTpotU4B3	40,5	34,3	23,7	6,9	1,1	-1,6	-1,9	-9,2	-42,0	12,2	
FLQi020	CTpotU4B2	40,2	34,1	23,4	6,6	0,8	-2,0	-2,3	-9,8	-43,4	11,9	
FLQi025	CTpotU4B1	45,0	38,8	27,9	10,8	5,1	2,4	2,0	-5,7	-40,1	16,5	
FLQi030	CTpotU4A1	44,7	38,6	27,6	10,6	4,9	2,1	1,9	-6,1	-41,5	16,2	
FLQi035	CTpotU4A2	44,5	38,3	27,4	10,3	4,6	1,8	1,4	-6,5	-42,8	16,0	
FLQi040	CTpotU4A3	44,3	38,1	27,1	10,0	4,3	1,5	1,0	-7,0	-44,3	15,7	
FLQi045	CTpotU4A4	44,0	37,9	26,9	9,7	4,0	1,2	0,7	-7,5	-45,6	15,5	
FLQi050	CTpotU4A5	43,8	37,7	26,5	9,3	3,7	0,8	0,2	-8,3	-47,3	15,2	
FLQi055	CTpotU3B5	40,5	34,3	23,2	6,4	0,5	-2,1	-2,2	-9,3	-41,7	11,9	
FLQi060	CTpotU3B4	40,2	34,1	23,7	7,0	1,0	-1,7	-2,0	-9,4	-42,9	12,0	
FLQi065	CTpotU3B3	45,0	38,9	28,0	11,2	5,2	2,5	2,3	-5,4	-39,6	16,6	
FLQi070	CTpotU3B2	44,8	38,6	27,7	10,9	5,0	2,3	1,9	-5,9	-40,9	16,3	
FLQi075	CTpotU3B1	44,5	38,4	27,5	10,7	4,7	2,0	1,7	-6,4	-42,3	16,1	
FLQi080	CTpotU3A1	44,3	38,2	27,2	10,4	4,5	1,7	1,5	-6,8	-43,6	15,8	
FLQi085	CTpotU3A2	44,1	37,9	26,8	9,9	3,9	1,0	0,9	-7,7	-45,5	15,5	
FLQi090	CTpotU3A3	43,7	37,4	25,9	9,6	1,7	-2,1	-2,6	-12,4	-52,2	14,6	
FLQi095	CTpotU3A4	43,4	36,9	25,1	8,9	-0,3	-5,0	-5,3	-15,9	-58,3	13,9	
FLQi100	CTpotU3A5	43,3	37,0	25,5	9,1	1,2	-2,9	-4,3	-15,3	-58,0	14,1	
FLQi104	CTcellU2B5dryN	16,5	11,0	1,6	-4,9	-9,4	-13,9	-20,0	-28,6	-66,4	-6,5	
FLQi109	CTcellU2B4dryN	14,2	8,4	-1,3	-7,4	-9,8	-14,1	-20,2	-29,0	-67,5	-7,8	
FLQi114	CTcellU2B3dryN	13,8	7,4	-2,8	-8,9	-3,6	-8,4	-14,7	-24,1	-65,2	-3,5	
FLQi119	CTcellU2B2dryN	13,7	7,3	-2,9	-9,0	-0,5	-4,6	-10,9	-20,7	-62,8	-0,3	
FLQi124	CTcellU2B1dryN	13,7	7,2	-3,0	-9,1	-0,2	-4,8	-11,2	-21,1	-64,0	-0,2	
FLQi129	CTcellU2A1dryN	13,6	7,2	-3,1	-8,1	11,3	6,1	-1,7	-13,5	-59,2	10,6	
FLQi134	CTcellU2A2dryN	13,5	7,1	-3,2	-8,2	7,1	1,6	-7,4	-20,4	-66,8	6,2	
FLQi139	CTcellU2A3dryN	13,7	7,9	-1,8	-8,5	6,0	-0,7	-8,5	-21,6	-68,9	4,8	
FLQi144	CTcellU2A4dryN	10,4	3,7	-6,4	-13,4	3,9	-3,5	-12,0	-25,6	-73,8	2,3	
FLQi149	CTcellU2A5dryN	12,4	6,4	-3,4	-10,3	4,0	-3,3	-12,8	-26,3	-74,8	2,5	
FLQi154	CTcellU1B5dryN	9,6	5,2	-4,7	-9,5	-12,3	-14,9	-20,7	-29,9	-69,7	-9,8	
FLQi159	CTcellU1B4dryN	7,9	1,3	-8,7	-13,1	-16,3	-20,6	-26,8	-36,2	-76,9	-14,3	
FLQi164	CTcellU1B3dryN	7,9	1,3	-8,7	-13,1	-16,4	-20,7	-27,0	-36,5	-78,0	-14,4	
FLQi169	CTcellU1B2dryN	7,9	1,3	-8,6	-10,9	-14,7	-19,0	-25,4	-35,2	-77,6	-12,9	
FLQi174	CTcellU1B1dryN	10,7	4,7	-5,1	-9,2	-12,9	-17,2	-23,6	-33,6	-76,6	-10,8	
FLQi179	CTcellU1A1dryN	12,7	6,9	-2,8	-9,0	-12,4	-16,8	-23,2	-33,3	-76,8	-10,0	
FLQi184	CTcellU1A2dryN	11,6	5,5	-4,3	-10,5	-14,1	-18,5	-25,0	-35,3	-79,5	-11,6	
FLQi189	CTcellU1A3dryN	11,4	5,2	-4,6	-9,4	-13,2	-17,6	-24,2	-34,7	-80,0	-11,0	
FLQi194	CTcellU1A4dryN	9,6	2,8	-7,3	-13,0	-17,0	-21,4	-28,0	-38,7	-84,7	-14,4	
FLQi199	CTcellU1A5dryN	9,5	2,7	-7,4	-14,5	-18,2	-22,7	-29,3	-40,2	-86,7	-15,4	
FLQi432	CTcellU1B4dryS	25,4	19,9	10,5	6,7	0,3	-5,1	-12,0	-21,4	-61,1	3,2	
FLQi433	CTcellU2B2dryS	30,2	26,7	19,4	15,3	11,1	5,4	-2,8	-14,2	-55,6	12,6	
FLQi436	CTcellU2B4dryS	30,9	27,6	20,7	15,7	13,6	9,4	3,3	-5,1	-42,3	15,1	
FLQi439	CTcellU2A1dryS	28,5	24,0	14,6	7,1	0,3	-7,1	-16,2	-26,9	-67,3	4,5	
FLQi441	CTcellU1B3dryS	29,9	26,4	19,2	14,4	11,2	6,5	-0,2	-9,7	-49,9	12,8	
FLQi443	CTcellU2A2dryS	28,4	24,1	15,3	8,5	2,3	-4,9	-14,0	-24,6	-65,8	5,7	
FLQi444	CTcellU1A2dryS	27,8	23,2	13,8	6,1	-0,8	-8,4	-17,8	-29,1	-72,3	3,6	
FLQi446	CTcellU1B5dryS	25,0	19,5	9,9	6,6	0,5	-2,0	-9,9	-20,1	-59,7	3,9	
FLQi447	CTcellU1B2dryS	28,9	25,1	17,4	13,4	9,0	3,1	-5,2	-16,7	-60,0	10,6	
FLQi448	CTcellU1A4dryS	27,5	22,9	13,4	5,7	-1,0	-8,5	-17,9	-30,0	-74,8	3,3	
FLQi450	CTcellU2B1dryS	28,7	24,3	15,8	11,1	5,4	-1,6	-10,7	-21,2	-61,2	7,7	
FLQi451	CTcellU2B3dryS	30,7	27,4	20,5	15,7	13,5	9,2	3,1	-5,6	-43,6	15,0	
FLQi454	CTcellU2B5dryS	31,1	27,8	20,9	16,0	14,0	9,7	3,7	-4,6	-41,0	15,4	
FLQi455	CTcellU2A5dryS	28,0	23,7	14,8	8,2	2,3	-4,8	-14,0	-26,0	-69,8	5,4	
FLQi456	CTcellU1A5dryS	27,4	22,9	13,4	5,7	-0,9	-8,3	-17,7	-30,2	-75,8	3,3	
FLQi458	CTcellU1B1dryS	28,0	23,3	13,8	7,0	1,9	-4,2	-13,6	-25,3	-68,9	4,8	
FLQi461	CTcellU1A1dryS	28,0	23,6	15,1	10,0	4,3	-2,7	-12,0	-23,0	-65,9	6,7	
FLQi467	CTcellU2A3dryS	28,4	24,1	15,4	8,8	2,8	-4,3	-13,4	-25,1	-67,0	6,0	
FLQi468	CTcellU2A4dryS	28,2	23,8	14,9	8,2	2,3	-4,7	-13,8	-25,4	-68,4	5,5	
FLQi471	CTcellU1A3dryS	27,7	23,1	13,7	6,0	-0,9	-8,4	-17,9	-29,5	-73,6	3,5	
FLQi004	CTcellU4B5dryN	19,7	15,4	10,1	2,3	-6,0	-6,8	-16,5	-22,5	-55,4	-0,2	
FLQi009	CTcellU4B4dryN	17,6	12,9	7,4	-0,3	-6,6	-7,0	-16,8	-23,0	-56,9	-1,8	
FLQi014	CTcellU4B3dryN	17,5	12,8	7,3	0,6	-5,9	-6,4	-16,2	-22,8	-57,9	-1,4	
FLQi019	CTcellU4B2dryN	16,8	11,4	5,4	-1,9	-8,0	11,9	2,0	-5,0	-42,3	12,6	
FLQi024	CTcellU4B1dryN	16,7	11,3	5,3	-2,1	-9,4	14,7	4,9	-2,4	-40,4	15,4	
FLQi029	CTcellU4A1dryN	16,7	11,4	5,3	-2,1	-9,6	14,4	4,6	-3,0	-41,8	15,1	
FLQi034	CTcellU4A2dryN	16,0	9,9	3,1	-4,4	-12,4	14,2	4,5	-3,3	-43,1	14,8	
FLQi039	CTcellU4A3dryN	15,9	9,7	3,0	-4,5	-12,6	13,9	4,2	-3,9	-44,5	14,6	
FLQi044	CTcellU4A4dryN	15,7	9,5	2,8	-5,6	-13,9	12,2	1,0	-7,9	-51,2	12,7	
FLQi049	CTcellU4A5dryN	15,5	9,4	2,7	-5,8	-14,1	11,0	0,8	-8,0	-52,2	11,6	
FLQi054	CTcellU3B5dryN	18,4	14,1	8,7	1,8	-6,4	-7,1	-16,9	-23,4	-58,4	-1,0	
FLQi059	CTcellU3B4dryN	16,1	11,4	5,9	-1,7	-7,7	-8,2	-18,1	-24,7	-60,4	-3,2	
FLQi064	CTcellU3B3dryN	15,3	9,2	2,2	-6,5	-13,9	-14,4	-24,3	-31,0	-67,2	-8,1	
FLQi069	CTcellU3B2dryN	15,2	9,1	2,1	-6,6	14,9	14,3	4,4	-3,2	-42,5	16,6	
FLQi074	CTcellU3B1dryN	15,1	9,0	2,0	-6,7	14,7	14,1	3,9	-3,8	-43,8	16,4	

FLQi079	CTcellU3A1dryN	15,0	8,8	1,9	-6,8	13,2	13,8	4,0	-4,1	-45,0	15,8
FLQi084	CTcellU3A2dryN	15,4	10,2	4,2	-3,9	10,1	11,6	0,9	-9,0	-52,7	13,3
FLQi089	CTcellU3A3dryN	15,3	10,1	4,2	-3,9	7,5	10,1	-0,1	-10,2	-54,5	11,6
FLQi094	CTcellU3A4dryN	15,2	10,0	4,1	-4,0	-11,7	4,8	-4,1	-15,2	-61,0	5,8
FLQi099	CTcellU3A5dryN	15,4	10,7	5,2	-2,7	-10,0	4,4	-5,7	-17,1	-63,6	5,2
FLQi434	CTcellU3B4dryS	32,1	30,0	27,2	20,9	15,8	15,1	5,2	-1,1	-35,6	19,5
FLQi435	CTcellU4A1dryS	31,6	29,4	26,6	19,5	14,7	14,2	4,3	-2,5	-38,9	18,5
FLQi437	CTcellU3A5dryS	29,3	26,4	22,3	15,5	6,3	3,2	-9,8	-20,3	-62,1	11,6
FLQi438	CTcellU3B3dryS	31,9	29,8	26,9	20,3	15,5	14,9	4,9	-1,7	-37,0	19,1
FLQi440	CTcellU4B2dryS	32,1	30,0	27,1	20,1	15,3	14,8	5,1	-1,3	-35,9	19,1
FLQi442	CTcellU4B3dryS	32,3	30,2	27,4	20,3	15,5	15,1	5,4	-0,7	-34,4	19,4
FLQi445	CTcellU4A3dryS	31,1	29,0	26,1	19,0	14,1	13,6	3,6	-3,7	-41,9	17,9
FLQi449	CTcellU4A2dryS	31,3	29,2	26,4	19,3	14,4	13,9	4,0	-3,1	-40,4	18,2
FLQi452	CTcellU3A2dryS	29,8	26,6	22,1	14,4	4,6	1,3	-11,4	-20,4	-59,3	10,7
FLQi453	CTcellU4A5dryS	30,6	28,5	25,7	18,5	13,6	13,0	2,9	-4,8	-44,9	17,4
FLQi457	CTcellU3B5dryS	32,4	30,2	27,4	21,1	16,1	15,6	5,6	-0,6	-34,2	19,8
FLQi459	CTcellU3B1dryS	31,2	28,9	25,8	19,7	12,4	10,6	-1,0	-10,1	-49,5	16,6
FLQi460	CTcellU3B2dryS	31,6	29,5	26,7	20,1	15,0	14,4	4,5	-2,3	-38,5	18,8
FLQi462	CTcellU3A1dryS	30,5	27,9	24,4	17,9	10,8	9,1	-2,5	-11,5	-51,3	15,0
FLQi463	CTcellU4B4dryS	32,6	30,5	27,7	20,6	15,8	15,5	5,8	0,0	-32,8	19,7
FLQi464	CTcellU4A4dryS	30,9	28,7	25,9	18,8	13,9	13,3	3,3	-4,3	-43,4	17,7
FLQi465	CTcellU4B5dryS	32,9	30,8	28,0	20,9	16,2	15,8	6,2	0,6	-31,4	20,0
FLQi466	CTcellU3A3dryS	29,6	26,3	21,6	14,0	4,5	1,3	-11,2	-20,8	-60,7	10,4
FLQi469	CTcellU3A4dryS	29,5	26,5	22,3	15,4	6,2	3,2	-9,5	-19,6	-60,4	11,6
FLQi470	CTcellU4B1dryS	31,8	29,7	26,9	19,8	15,0	14,5	4,7	-1,9	-37,4	18,8
FLQi101	CTcellU2B5wetS	34,8	25,8	14,3	9,3	8,3	4,8	2,0	-4,2	-33,7	10,8
FLQi103	CTcellU2B5wetN	19,4	8,6	-5,8	-12,7	-14,1	-17,5	-20,4	-26,9	-57,6	-10,4
FLQi106	CTcellU2B4wetS	34,6	25,6	14,1	9,1	8,0	4,6	1,7	-4,7	-34,9	10,5
FLQi108	CTcellU2B4wetN	17,2	6,1	-9,4	-16,4	-17,2	-20,6	-23,6	-30,4	-62,1	-13,3
FLQi111	CTcellU2B3wetS	34,4	25,4	13,9	8,9	7,8	4,4	1,4	-5,2	-36,2	10,3
FLQi113	CTcellU2B3wetN	17,3	6,4	-8,6	-15,0	-9,4	-12,9	-16,1	-23,4	-57,2	-7,7
FLQi116	CTcellU2B2wetS	32,1	21,8	8,5	2,3	-1,3	-7,2	-12,4	-19,6	-52,2	2,0
FLQi118	CTcellU2B2wetN	17,2	6,3	-8,7	-15,1	-7,1	-10,1	-13,3	-20,9	-55,8	-5,5
FLQi121	CTcellU2B1wetS	30,5	19,7	5,8	-0,4	-4,3	-10,1	-13,0	-20,4	-53,6	-0,3
FLQi123	CTcellU2B1wetN	17,2	6,3	-8,8	-15,2	-7,0	-10,3	-13,6	-21,4	-56,9	-5,5
FLQi126	CTcellU2A1wetS	30,4	19,2	4,4	-4,8	-9,5	-15,8	-17,3	-25,2	-59,5	-2,6
FLQi128	CTcellU2A1wetN	17,1	6,2	-8,8	-16,2	0,0	-5,8	-11,7	-21,8	-58,3	-0,6
FLQi131	CTcellU2A2wetS	30,4	19,5	5,3	-3,0	-7,3	-13,3	-15,4	-23,2	-58,0	-1,7
FLQi133	CTcellU2A2wetN	17,1	5,7	-9,0	-15,5	-2,5	-8,1	-13,7	-22,0	-59,1	-2,9
FLQi136	CTcellU2A3wetS	30,3	19,5	5,4	-2,8	-7,0	-12,2	-15,6	-23,5	-59,1	-1,6
FLQi138	CTcellU2A3wetN	13,8	3,4	-11,2	-17,7	-3,7	-10,0	-15,1	-24,0	-61,9	-4,4
FLQi141	CTcellU2A4wetS	30,1	19,2	4,9	-3,3	-7,3	-12,5	-16,2	-24,3	-60,5	-1,9
FLQi143	CTcellU2A4wetN	16,9	5,7	-8,7	-14,9	-6,0	-12,4	-17,6	-26,6	-64,7	-6,5
FLQi146	CTcellU2A5wetS	30,0	19,1	4,8	-3,4	-4,5	-10,9	-15,1	-23,3	-60,8	-1,3
FLQi148	CTcellU2A5wetN	12,4	-0,2	-14,9	-21,5	-6,3	-13,0	-19,4	-29,2	-68,5	-7,3
FLQi151	CTcellU1B5wetS	27,5	16,1	1,8	-3,9	-6,6	-9,2	-12,4	-19,6	-52,1	-2,4
FLQi153	CTcellU1B5wetN	14,0	4,5	-9,4	-14,7	-15,5	-17,6	-20,4	-27,5	-60,4	-12,0
FLQi156	CTcellU1B4wetS	27,9	16,5	2,4	-3,7	-6,8	-10,8	-13,9	-20,9	-53,5	-2,8
FLQi158	CTcellU1B4wetN	12,8	1,5	-11,3	-15,4	-16,6	-20,1	-23,2	-30,6	-64,4	-14,1
FLQi161	CTcellU1B3wetS	32,7	23,3	11,3	6,0	4,5	0,9	-2,3	-9,4	-42,5	7,1
FLQi163	CTcellU1B3wetN	12,8	3,1	-11,3	-15,5	-16,7	-20,2	-23,4	-30,9	-65,5	-14,0
FLQi166	CTcellU1B2wetS	30,7	20,1	6,5	0,4	-3,0	-8,7	-12,8	-20,7	-55,6	0,4
FLQi168	CTcellU1B2wetN	13,5	3,3	-11,2	-15,6	-16,8	-20,3	-23,6	-31,2	-66,6	-14,0
FLQi171	CTcellU1B1wetS	29,6	18,4	3,4	-4,9	-7,9	-12,8	-16,4	-24,8	-61,3	-2,7
FLQi173	CTcellU1B1wetN	14,5	3,4	-11,1	-16,4	-17,6	-21,1	-24,4	-32,3	-68,2	-14,5
FLQi176	CTcellU1A1wetS	29,8	18,9	5,1	-1,5	-5,5	-11,3	-14,6	-22,5	-58,3	-1,3
FLQi178	CTcellU1A1wetN	15,1	4,5	-10,0	-15,1	-16,3	-19,9	-23,3	-31,3	-68,1	-13,4
FLQi181	CTcellU1A2wetS	29,5	18,3	3,4	-5,8	-10,8	-17,4	-20,7	-28,6	-64,7	-3,7
FLQi183	CTcellU1A2wetN	14,5	3,1	-11,4	-16,6	-17,8	-21,4	-24,8	-33,0	-70,6	-14,8
FLQi186	CTcellU1A3wetS	29,4	18,2	3,3	-6,0	-10,9	-17,6	-20,9	-29,0	-66,0	-3,8
FLQi188	CTcellU1A3wetN	14,4	3,8	-10,7	-16,6	-17,9	-21,5	-24,9	-33,4	-71,5	-14,7
FLQi191	CTcellU1A4wetS	29,3	18,0	2,9	-6,4	-11,1	-17,7	-21,2	-29,5	-67,2	-4,1
FLQi193	CTcellU1A4wetN	15,4	4,8	-9,6	-15,1	-16,3	-19,9	-23,4	-32,1	-71,1	-13,3
FLQi196	CTcellU1A5wetS	29,2	17,9	2,9	-6,4	-10,9	-17,5	-21,2	-29,7	-68,2	-4,1
FLQi198	CTcellU1A5wetN	14,8	3,1	-11,3	-17,5	-18,7	-22,4	-25,9	-34,7	-74,1	-15,4
FLQi001	CTcellU4B5wetS	35,9	27,0	15,5	7,0	9,5	6,2	3,6	-1,6	-27,2	11,9
FLQi003	CTcellU4B5wetN	21,8	11,0	-3,3	-10,7	-11,8	-15,1	-17,7	-23,2	-49,7	-7,9
FLQi006	CTcellU4B4wetS	35,6	26,7	15,2	6,8	9,2	5,9	3,2	-2,2	-28,7	11,6
FLQi008	CTcellU4B4wetN	20,1	9,0	-5,9	-13,0	-13,1	-16,4	-19,2	-25,0	-52,8	-9,6
FLQi011	CTcellU4B3wetS	35,4	26,4	14,9	6,6	8,9	5,5	2,8	-2,8	-30,1	11,2
FLQi013	CTcellU4B3wetN	19,5	8,2	-7,1	-14,3	-14,2	-17,6	-20,5	-26,6	-55,8	-10,6
FLQi016	CTcellU4B2wetS	35,1	26,2	14,6	6,4	8,6	5,2	2,4	-3,4	-31,6	10,9
FLQi018	CTcellU4B2wetN	19,9	9,1	-5,4	-11,3	-12,2	2,3	-0,6	-7,2	-38,1	5,0
FLQi021	CTcellU4B1wetS	34,8	25,9	14,4	6,2	8,3	4,9	2,1	-4,0	-33,1	10,6
FLQi023	CTcellU4B1wetN	19,8	9,1	-5,4	-11,5	-12,6	5,1	2,1	-4,6	-36,2	7,7
FLQi026	CTcellU4A1wetS	34,6	25,6	14,1	6,0	8,0	4,6	1,7	-4,6	-34,6	10,3
FLQi028	CTcellU4A1wetN	20,0	9,1	-5,4	-11,7	-12,8	4,8	1,8	-5,1	-37,6	7,4
FLQi031	CTcellU4A2wetS	34,3	25,4	13,9	5,8	7,7	4,3	1,4	-5,2	-36,1	10,0
FLQi033	CTcellU4A2wetN	19,9	9,0	-5,5	-11,8	-13,0	4,6	1,5	-5,7	-38,9	7,1
FLQi036	CTcellU4A3wetS	34,1	25,2	13,6	5,6	7,5	4,0	1,0	-5,8	-37,6	9,7
FLQi038	CTcellU4A3wetN	19,8	8,9	-5,6	-12,0	-13,1	4,3	1,2	-6,2	-40,3	6,8
FLQi041	CTcellU4A4wetS	33,9	24,9	13,4	5,4	7,2	3,7	0,7	-6,4	-39,1	9,4
FLQi043	CTcellU4A4wetN	19,6	8,8	-5,7	-12,9	-14,1	-3,5	-9,2	-18,0	-54,4	-1,6
FLQi046	CTcellU4A5wetS	33,6	24,7	13,2	5,2	6,9	3,4	0,3	-6,9	-40,6	9,1
FLQi048	CTcellU4A5wetN	18,2	6,6	-7,7	-14,6	-15,8	-4,6	-9,4	-18,5	-56,0	-2,6
FLQi051	CTcellU3B5wetS	35,4	26,4	14,9	9,6	9,1	5,7	2,9	-2,8	-30,2	11,5
FLQi053	CTcellU3B5wetN	20,6	9,7	-4,7	-12,0	-12,8	-16,2	-19,0	-25,0	-53,6	-9,1
FLQi056	CTcellU3B4wetS	35,1	26,2	14,7	9,3	8,8	5,3	2,5	-3,4	-31,5	11,2
FLQi058	CTcellU3B4wetN	18,4	7,2	-8,4	-17,3	-16,5	-19,9	-22,8	-29,1	-59,0	-12,5
FLQi061	CTcellU3B3wetS	34,9	26,0	14,4	9,0	8,5	5,1	2,2	-3,9	-32,9	10,9
FLQi063	CTcellU3B3wetN	18,4	7,2	-8,0	-15,3	-16,3	-19,7	-22,6	-28,9	-58,7	-12,3
FLQi066	CTcellU3B2wetS	34,7	25,7	14,2	8,7	8,2	4,7	1,8	-4,4	-34,3	10,6
FLQi068	CTcellU3B2wetN	18,3	7,2	-8,0	-15,4	8,2	4,7	1,6	-5,4	-38,3	9,2
FLQi071	CTcellU3B1wetS	32,8	22,7	9,5	2,3	-1,2	-7,3	-12,3	-19,5	-50,5	2,5
FLQi073	CTcellU3B1wetN	18,3	7,1	-8,1	-15,5	8,0	4,5	1,3	-5,9	-39,6	9,0
FLQi076	CTcellU3A1wetS	32,0	21,8	8,5	1,2	-2,4	-8,4	-12,8	-20,2	-51,9	1,5
FLQi078	CTcellU3A1wetN	18,3	7,2	-7,7	-14,7	6,5	4,2	1,1	-6,4	-40,8	8,3
FLQi081	CTcellU3A2wetS	31,2	20,4	6,4	-1,8	-6,2	-12,1	-14,4	-21,8	-54,9	-0,7
FLQi083	CTcellU3A2wetN	17,9	6,6	-8,8	-16,6	-1,9	-4,9	-10,3	-20,3	-55,9	-1,0
FLQi086	CTcellU3A3wetS	31,0	20,1	5,8	-2,2	-6,2	-11,0	-15,1	-22,5	-56,3	-0,9
FLQi088	CTcellU3A3wetN	17,9	6,5	-8,9	-16,7	-4,4	-5,9	-10,9	-20,2	-56,6	-2,4
FLQi091	CTcellU3A4wetS	31,0	20,4	6,8	-0,7	-4,6	-9,1	-13,5	-21,1	-55,8	0,0
FLQi093	CTcellU3A4wetN	17,8	6,6	-8,4	-15,8	-16,9	-9,1	-13,4	-22,1	-58,8	-6,5

FLQi096	CTcellU3A5wetS		30,9	20,4	6,8	-0,7	-2,4	-8,7	-13,5	-21,2	-56,8	0,5
FLQi098	CTcellU3A5wetN		15,5	3,6	-10,8	-17,4	-18,6	-9,5	-13,8	-22,7	-60,4	-7,1
	Total noise impact level (linear)	-70,0	59,3	53,5	44,5	36,4	41,6	31,8	27,2	15,5	-17,6	
	Total noise impact level (A-weighted)	-126,7	19,9	27,3	28,4	27,8	38,4	31,8	28,4	16,5	-18,7	40,4

Point calculation	Receiver point: Kelsterton Farm	Emission variant: Day
	X = -300,00	Z = 12,48
	Variant: CT Scenario A	

Noise prediction		16 Hz	31,5 Hz	63 Hz	125 Hz	250 Hz	500 Hz	1000 Hz	2000 Hz	4000 Hz	8000 Hz	L
Element	Label	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	/dB(A)
FLQi105	CTpotU2B5		41,8	36,5	27,2	20,4	27,6	14,0	10,7	-6,4	-42,2	25,5
FLQi110	CTpotU2B4		38,6	33,3	23,9	17,0	24,7	11,4	8,8	-7,3	-41,8	22,6
FLQi115	CTpotU2B3		38,4	32,9	23,2	16,4	22,2	7,7	3,6	-14,1	-50,3	20,2
FLQi120	CTpotU2B2		38,5	33,1	23,6	16,7	23,6	9,8	6,8	-9,5	-44,0	21,5
FLQi125	CTpotU2B1		40,8	35,6	26,3	19,5	26,9	13,4	10,4	-6,2	-41,0	24,8
FLQi130	CTpotU2A1		41,7	36,3	26,8	20,1	26,7	12,6	9,0	-8,5	-44,7	24,6
FLQi135	CTpotU2A2		42,0	36,5	26,9	20,2	26,3	12,0	8,1	-9,6	-45,9	24,3
FLQi140	CTpotU2A3		43,4	38,0	28,6	21,8	28,7	14,9	11,5	-5,7	-41,8	26,6
FLQi145	CTpotU2A4		43,5	38,2	28,8	22,1	29,2	15,4	11,9	-5,6	-42,1	27,1
FLQi150	CTpotU2A5		43,3	37,9	28,3	21,5	27,9	13,8	10,2	-7,0	-42,7	25,9
FLQi155	CTpotU1B5		42,3	36,7	27,0	20,1	26,2	11,8	7,7	-10,7	-50,5	24,2
FLQi160	CTpotU1B4		42,5	37,2	27,8	20,9	28,3	14,8	11,9	-5,1	-43,1	26,2
FLQi165	CTpotU1B3		42,2	36,5	26,6	19,5	25,1	10,3	5,8	-12,9	-52,8	23,2
FLQi170	CTpotU1B2		42,4	36,9	27,3	20,4	27,1	13,3	10,1	-7,2	-45,3	25,1
FLQi175	CTpotU1B1		42,4	37,0	27,5	20,7	27,3	13,3	9,5	-8,7	-48,3	25,2
FLQi180	CTpotU1A1		42,2	36,5	26,6	19,5	25,1	10,3	5,8	-13,0	-53,0	23,1
FLQi185	CTpotU1A2		42,3	36,8	27,2	20,5	26,7	12,4	8,3	-10,3	-50,3	24,6
FLQi190	CTpotU1A3		42,3	36,8	27,2	20,5	26,5	12,0	7,8	-10,9	-51,0	24,4
FLQi195	CTpotU1A4		42,1	36,4	26,5	19,5	25,1	10,3	5,8	-13,1	-53,4	23,1
FLQi200	CTpotU1A5		42,2	36,9	27,3	20,7	27,1	13,0	9,0	-9,5	-49,8	25,1
FLQi005	CTpotU4B5		43,1	36,9	25,9	8,7	4,1	1,6	2,0	-3,3	-28,2	14,8
FLQi010	CTpotU4B4		43,1	37,0	25,9	8,8	4,1	1,9	2,2	-3,2	-28,0	14,8
FLQi015	CTpotU4B3		43,1	37,0	25,9	8,8	3,4	1,0	1,4	-3,7	-28,1	14,7
FLQi020	CTpotU4B2		43,1	37,0	25,9	8,8	3,4	1,0	1,4	-3,7	-28,1	14,7
FLQi025	CTpotU4B1		43,1	37,0	25,9	8,7	4,1	1,6	2,0	-3,3	-28,1	14,8
FLQi030	CTpotU4A1		43,0	36,9	25,8	8,7	4,0	1,6	1,9	-3,4	-28,3	14,7
FLQi035	CTpotU4A2		43,0	36,9	25,8	8,6	3,3	0,9	1,2	-3,9	-28,6	14,6
FLQi040	CTpotU4A3		42,9	36,8	25,7	8,6	3,2	0,8	1,2	-4,0	-28,9	14,5
FLQi045	CTpotU4A4		42,8	36,7	25,6	8,5	3,8	1,4	1,7	-3,7	-29,2	14,5
FLQi050	CTpotU4A5		42,7	36,6	25,5	8,4	3,7	1,3	1,5	-3,9	-29,6	14,4
FLQi055	CTpotU3B5		41,7	35,5	24,1	7,6	0,7	-2,4	-2,8	-9,3	-37,7	12,9
FLQi060	CTpotU3B4		41,7	35,4	23,9	7,6	0,0	-3,6	-4,5	-11,5	-40,3	12,6
FLQi065	CTpotU3B3		41,7	35,3	23,7	7,6	-0,9	-5,2	-7,3	-15,7	-46,4	12,4
FLQi070	CTpotU3B2		41,7	35,4	23,8	7,6	-0,4	-4,2	-5,5	-12,9	-42,1	12,5
FLQi075	CTpotU3B1		41,7	35,4	24,1	7,6	0,4	-2,9	-3,4	-10,0	-38,5	12,8
FLQi080	CTpotU3A1		41,7	35,5	24,2	7,6	0,8	-2,3	-2,7	-9,2	-37,6	12,9
FLQi085	CTpotU3A2		41,7	35,4	24,1	7,5	0,7	-2,5	-3,0	-9,6	-38,3	12,8
FLQi090	CTpotU3A3		41,6	35,3	23,9	7,5	0,1	-3,3	-4,0	-10,8	-39,7	12,6
FLQi095	CTpotU3A4		41,5	35,2	23,6	7,4	-0,8	-4,9	-6,6	-14,6	-44,9	12,3
FLQi100	CTpotU3A5		41,4	35,1	23,5	7,3	-1,1	-5,3	-7,3	-16,0	-47,5	12,2
FLQi104	CTcellU2B5dryN		7,0	0,5	14,5	7,7	3,2	-3,9	-12,9	-23,7	-62,7	4,8
FLQi109	CTcellU2B4dryN		4,3	-2,1	16,2	9,4	5,3	-1,9	-10,9	-20,7	-59,7	6,6
FLQi114	CTcellU2B3dryN		2,9	-2,9	12,7	5,8	1,8	-5,3	-14,2	-23,8	-62,7	3,1
FLQi119	CTcellU2B2dryN		4,1	-1,3	13,1	6,2	3,7	-3,4	-12,2	-22,5	-61,6	4,4
FLQi124	CTcellU2B1dryN		4,4	-1,3	18,1	12,0	6,7	-0,6	-9,5	-20,1	-60,0	8,5
FLQi129	CTcellU2A1dryN		3,3	-1,9	14,7	8,1	2,8	-4,2	-13,1	-23,8	-63,3	4,8
FLQi134	CTcellU2A2dryN		3,8	-1,5	14,7	8,0	3,6	-3,4	-12,5	-23,0	-62,3	5,1
FLQi139	CTcellU2A3dryN		4,8	-1,0	14,5	7,8	3,5	-3,6	-12,6	-23,1	-62,5	4,9
FLQi144	CTcellU2A4dryN		5,6	-0,6	14,7	8,2	2,9	-4,2	-12,8	-22,0	-61,2	4,8
FLQi149	CTcellU2A5dryN		7,3	1,0	15,0	8,4	2,5	-4,5	-13,1	-22,5	-61,8	4,8
FLQi154	CTcellU1B5dryN		5,5	-0,6	-13,8	-21,3	-23,8	-25,6	-31,3	-40,0	-78,6	-19,9
FLQi159	CTcellU1B4dryN		3,1	-3,0	-14,8	-21,8	-24,2	-26,0	-31,6	-40,4	-78,9	-20,7
FLQi164	CTcellU1B3dryN		1,7	-3,8	-15,2	-22,1	-24,5	-26,3	-31,9	-40,7	-79,2	-21,1
FLQi169	CTcellU1B2dryN		1,6	-3,6	-15,0	-21,9	-24,3	-26,1	-31,8	-40,5	-79,0	-20,9
FLQi174	CTcellU1B1dryN		1,8	-3,3	-14,6	-21,6	-24,0	-25,8	-31,4	-40,2	-78,7	-20,6
FLQi179	CTcellU1A1dryN		2,0	-3,0	-14,3	-21,2	-23,6	-25,4	-31,1	-39,8	-78,4	-20,2
FLQi184	CTcellU1A2dryN		2,5	-2,6	-13,9	-20,9	-23,3	-25,1	-30,7	-39,5	-78,2	-19,9
FLQi189	CTcellU1A3dryN		3,0	-2,3	-13,6	-20,5	-23,0	-24,8	-30,4	-39,3	-78,1	-19,6
FLQi194	CTcellU1A4dryN		3,8	-1,9	-13,3	-20,2	-22,6	-24,5	-30,1	-39,0	-77,9	-19,2
FLQi199	CTcellU1A5dryN		6,5	0,6	-11,2	-17,5	-20,3	-22,8	-28,6	-37,6	-76,7	-17,1
FLQi432	CTcellU1B4dryS		28,5	22,6	11,7	3,9	-2,0	-5,9	-11,5	-19,8	-56,7	2,7
FLQi433	CTcellU2B2dryS		28,2	21,7	11,1	3,8	-1,4	-4,8	-10,1	-17,5	-50,6	2,8
FLQi436	CTcellU2B4dryS		29,9	23,7	12,7	4,8	-1,0	-4,8	-10,1	-17,5	-50,7	3,8
FLQi439	CTcellU2A1dryS		30,2	25,4	16,1	8,6	2,0	-3,3	-9,7	-17,6	-50,5	6,4
FLQi441	CTcellU1B3dryS		26,7	20,5	9,8	2,7	-2,5	-5,9	-11,5	-19,8	-56,7	1,6
FLQi443	CTcellU2A2dryS		29,8	24,8	15,5	8,2	1,8	-3,4	-9,7	-17,6	-51,0	6,0
FLQi444	CTcellU1A2dryS		28,5	23,9	15,1	9,0	3,6	-2,1	-9,4	-18,8	-55,5	6,5
FLQi446	CTcellU1B5dryS		30,7	24,9	13,3	5,9	0,4	-4,5	-10,3	-18,7	-55,6	4,7
FLQi447	CTcellU1B2dryS		26,9	20,6	10,1	2,9	-2,3	-5,9	-11,5	-19,8	-56,7	1,8
FLQi448	CTcellU1A4dryS		27,8	22,4	12,5	5,7	0,2	-4,6	-10,5	-18,6	-56,0	3,8
FLQi450	CTcellU2B1dryS		28,8	23,2	13,5	6,7	1,3	-3,4	-8,9	-16,3	-49,5	4,9
FLQi451	CTcellU2B3dryS		28,6	22,0	11,0	3,7	-1,4	-4,8	-10,1	-17,5	-50,6	2,9
FLQi454	CTcellU2B5dryS		32,7	26,6	14,9	6,7	0,7	-4,0	-10,1	-17,5	-50,8	5,8
FLQi455	CTcellU2A5dryS		31,2	25,8	16,2	9,9	4,5	-1,2	-8,4	-17,1	-51,7	7,6
FLQi456	CTcellU1A5dryS		29,6	24,0	13,9	7,0	1,4	-4,0	-10,4	-19,0	-56,6	5,0
FLQi458	CTcellU1B1dryS		26,7	20,5	10,0	2,8	-2,4	-5,9	-11,5	-19,8	-56,7	1,7
FLQi461	CTcellU1A1dryS		28,0	22,6	12,7	5,8	0,3	-4,5	-11,1	-19,9	-56,8	3,9
FLQi467	CTcellU2A3dryS		29,0	23,4	13,7	7,0	1,5	-3,3	-9,0	-16,2	-49,7	5,1
FLQi468	CTcellU2A4dryS		30,6	25,5	15,8	8,1	1,5	-3,8	-10,1	-17,8	-51,2	6,1
FLQi471	CTcellU1A3dryS		28,5	22,8	12,8	5,9	0,3	-4,6	-11,1	-20,0	-57,2	4,0
FLQi004	CTcellU4B5dryN		12,9	7,4	26,6	19,9	11,7	9,1	-3,0	-10,7	-43,6	16,1
FLQi009	CTcellU4B4dryN		9,9	4,4	26,6	21,0	12,0	9,3	-2,8	-10,6	-43,8	16,6
FLQi014	CTcellU4B3dryN		8,7	3,3	23,3	16,6	5,8	2,0	-10,4	-16,2	-47,0	11,8
FLQi019	CTcellU4B2dryN		8,6	3,2	23,3	16,6	5,8	2,2	-10,2	-16,1	-47,0	11,8
FLQi024	CTcellU4B1dryN		9,0	3,6	27,0	22,3	14,5	12,8	1,6	-5,7	-39,0	18,5
FLQi029	CTcellU4A1dryN		9,5	4,1	26,9	21,0	12,7	10,0	-2,1	-9,8	-42,8	16,9
FLQi034	CTcellU4A2dryN		10,2	5,1	26,6	20,9	12,3	9,6	-2,5	-10,4	-43,7	16,7
FLQi039	CTcellU4A3dryN		10,9	5,8	23,3	16,4	6,7	3,6	-9,0	-16,0	-47,6	12,0
FLQi044	CTcellU4A4dryN		12,0	6,7	23,3	14,6	6,3	2,9	-9,4	-15,7	-47,0	11,3

FLQI049	CTcellU4A5dryN	14,5	9,1	23,7	16,0	8,0	5,1	-7,3	-13,7	-45,3	12,5
FLQI054	CTcellU3B5dryN	9,9	4,2	23,8	15,5	6,3	2,4	-10,4	-18,7	-53,3	11,7
FLQI059	CTcellU3B4dryN	7,3	2,1	21,8	14,3	7,1	4,0	-8,4	-15,7	-50,7	11,0
FLQI064	CTcellU3B3dryN	5,6	0,2	19,6	11,7	4,0	0,6	-11,9	-18,7	-53,3	8,3
FLQI069	CTcellU3B2dryN	5,4	0,4	21,6	13,2	4,8	1,1	-11,5	-18,7	-53,3	9,7
FLQI074	CTcellU3B1dryN	6,5	1,6	25,9	19,9	12,6	11,0	-0,3	-8,4	-45,1	16,6
FLQI079	CTcellU3A1dryN	6,9	2,4	23,0	16,6	6,9	3,3	-9,4	-18,1	-53,6	12,0
FLQI084	CTcellU3A2dryN	7,3	2,4	22,8	16,2	6,6	3,4	-9,5	-18,4	-53,9	11,7
FLQI089	CTcellU3A3dryN	7,3	2,1	23,0	16,6	7,7	4,5	-8,1	-15,7	-51,0	12,3
FLQI094	CTcellU3A4dryN	8,3	2,7	21,3	12,9	3,4	0,7	-12,1	-19,4	-54,3	9,2
FLQI099	CTcellU3A5dryN	11,0	5,6	19,6	11,7	3,3	0,0	-12,5	-19,6	-54,4	8,1
FLQI434	CTcellU3B4dryS	32,7	28,0	21,0	11,7	1,6	1,4	-7,6	-12,4	-41,2	9,6
FLQI435	CTcellU4A1dryS	35,6	33,8	31,7	23,3	18,7	22,8	14,2	10,3	-14,9	25,4
FLQI437	CTcellU3A5dryS	33,4	28,8	21,7	13,0	3,4	2,5	-6,7	-11,7	-41,4	10,7
FLQI438	CTcellU3B3dryS	31,8	27,3	20,8	11,6	1,6	1,4	-7,6	-12,4	-41,2	9,4
FLQI440	CTcellU4B2dryS	35,7	33,9	31,7	23,4	18,8	22,9	14,3	10,5	-14,6	25,5
FLQI442	CTcellU4B3dryS	35,7	33,9	31,8	23,4	18,8	22,9	14,3	10,5	-14,6	25,5
FLQI445	CTcellU4A3dryS	35,5	33,6	31,5	23,2	18,6	22,6	14,1	10,1	-15,6	25,2
FLQI449	CTcellU4A2dryS	35,5	33,7	31,6	23,3	18,6	22,7	14,2	10,2	-15,2	25,3
FLQI452	CTcellU3A2dryS	32,6	29,6	25,7	19,3	10,8	8,6	-2,7	-9,4	-39,9	15,7
FLQI453	CTcellU4A5dryS	35,2	33,4	31,3	23,0	18,3	22,4	13,8	9,7	-16,5	25,0
FLQI457	CTcellU3B5dryS	36,0	32,0	25,1	16,7	7,2	5,1	-5,8	-11,7	-41,2	13,9
FLQI459	CTcellU3B1dryS	31,3	27,0	21,3	13,1	3,6	2,7	-6,3	-11,1	-40,0	10,3
FLQI460	CTcellU3B2dryS	31,5	27,0	20,7	11,6	1,6	1,4	-7,6	-12,4	-41,2	9,4
FLQI462	CTcellU3A1dryS	32,6	29,6	25,6	19,1	10,5	8,3	-3,1	-10,1	-40,8	15,5
FLQI463	CTcellU4B4dryS	35,7	33,8	31,7	23,4	18,8	22,9	14,3	10,5	-14,7	25,5
FLQI464	CTcellU4A4dryS	35,4	33,5	31,4	23,1	18,4	22,5	13,9	9,9	-16,0	25,1
FLQI465	CTcellU4B5dryS	35,6	33,8	31,7	23,4	18,7	22,8	14,3	10,4	-14,8	25,4
FLQI466	CTcellU3A3dryS	33,0	29,4	24,5	17,0	7,7	5,6	-5,0	-10,8	-39,5	13,7
FLQI469	CTcellU3A4dryS	33,3	29,6	24,3	16,5	7,0	4,9	-5,1	-9,1	-39,9	13,3
FLQI470	CTcellU4B1dryS	35,6	33,8	31,7	23,4	18,8	22,8	14,3	10,4	-14,7	25,4
FLQI101	CTcellU2B5wetS	36,7	24,7	6,3	-3,8	-6,9	-8,6	-10,9	-16,2	-42,4	2,5
FLQI103	CTcellU2B5wetN	3,8	-9,2	3,5	-4,4	-7,2	-13,1	-16,6	-23,4	-55,4	-5,5
FLQI106	CTcellU2B4wetS	33,0	20,7	3,7	-5,8	-8,1	-8,8	-10,9	-16,2	-42,3	-0,2
FLQI108	CTcellU2B4wetN	3,3	-9,7	6,3	-2,0	-4,9	-10,4	-13,4	-20,2	-52,3	-2,9
FLQI111	CTcellU2B3wetS	31,1	18,6	1,9	-6,7	-8,1	-8,8	-10,9	-16,2	-42,2	-1,3
FLQI113	CTcellU2B3wetN	2,3	-10,4	2,3	-5,7	-8,3	-13,5	-16,5	-23,4	-55,4	-6,4
FLQI116	CTcellU2B2wetS	30,4	18,0	2,0	-6,7	-8,0	-8,7	-10,9	-16,2	-42,2	-1,6
FLQI118	CTcellU2B2wetN	4,4	-7,6	2,6	-5,5	-6,9	-12,2	-15,2	-22,1	-54,2	-5,4
FLQI121	CTcellU2B1wetS	30,8	19,1	4,0	-4,3	-6,1	-7,6	-9,9	-15,1	-41,3	-0,4
FLQI123	CTcellU2B1wetN	5,3	-7,1	6,2	-1,6	-4,8	-10,4	-14,2	-21,0	-52,9	-2,9
FLQI126	CTcellU2A1wetS	31,4	19,6	4,1	-4,7	-7,5	-8,8	-10,9	-16,2	-42,4	-0,8
FLQI128	CTcellU2A1wetN	3,3	-9,4	3,7	-4,3	-7,7	-13,5	-17,3	-24,1	-56,1	-5,8
FLQI131	CTcellU2A2wetS	30,9	18,7	3,0	-5,4	-7,5	-8,8	-11,0	-16,3	-42,6	-1,2
FLQI133	CTcellU2A2wetN	3,6	-9,1	3,8	-4,3	-6,6	-12,4	-15,9	-22,8	-55,1	-5,1
FLQI136	CTcellU2A3wetS	31,3	19,5	4,2	-4,0	-6,2	-7,7	-10,0	-15,4	-41,8	-0,3
FLQI138	CTcellU2A3wetN	4,7	-8,3	3,5	-4,4	-7,9	-13,8	-17,4	-24,3	-56,4	-5,9
FLQI141	CTcellU2A4wetS	32,3	20,2	4,0	-4,9	-7,8	-8,9	-11,1	-16,5	-42,9	-0,5
FLQI143	CTcellU2A4wetN	5,1	-7,9	4,8	-3,0	-6,5	-11,7	-14,7	-21,6	-53,9	-4,3
FLQI146	CTcellU2A5wetS	33,7	21,3	4,3	-4,5	-7,1	-8,9	-11,2	-16,7	-43,5	0,2
FLQI148	CTcellU2A5wetN	4,7	-8,0	5,0	-2,9	-6,9	-12,2	-15,2	-22,2	-54,5	-4,5
FLQI151	CTcellU1B5wetS	34,8	23,0	4,9	-4,5	-6,8	-8,7	-11,2	-17,5	-47,3	1,1
FLQI153	CTcellU1B5wetN	1,4	-11,0	-25,6	-30,7	-31,8	-35,3	-38,3	-44,9	-76,4	-28,6
FLQI156	CTcellU1B4wetS	31,4	19,5	2,6	-6,7	-9,1	-9,8	-12,2	-18,4	-48,2	-1,5
FLQI158	CTcellU1B4wetN	2,1	-10,8	-25,7	-31,1	-32,2	-35,6	-38,6	-45,3	-76,7	-28,7
FLQI161	CTcellU1B3wetS	29,1	17,2	0,7	-7,7	-9,1	-9,8	-12,2	-18,4	-48,2	-2,7
FLQI163	CTcellU1B3wetN	0,7	-11,6	-26,2	-31,4	-32,5	-35,9	-38,9	-45,6	-76,9	-29,3
FLQI166	CTcellU1B2wetS	28,8	16,8	0,9	-7,6	-9,1	-9,8	-12,2	-18,4	-48,2	-2,9
FLQI168	CTcellU1B2wetN	1,2	-11,3	-26,0	-31,2	-32,3	-35,8	-38,7	-45,4	-76,8	-29,0
FLQI171	CTcellU1B1wetS	28,5	16,8	0,9	-7,7	-9,1	-9,8	-12,2	-18,4	-48,2	-2,9
FLQI173	CTcellU1B1wetN	1,6	-11,0	-25,7	-30,9	-32,0	-35,4	-38,4	-45,1	-76,5	-28,7
FLQI176	CTcellU1A1wetS	28,9	17,4	1,9	-6,4	-8,5	-9,8	-12,2	-18,5	-48,3	-2,5
FLQI178	CTcellU1A1wetN	1,6	-10,8	-25,3	-30,5	-31,6	-35,1	-38,1	-44,7	-76,2	-28,4
FLQI181	CTcellU1A2wetS	30,2	19,2	4,5	-3,5	-6,4	-8,8	-11,3	-17,6	-47,5	-0,9
FLQI183	CTcellU1A2wetN	2,3	-10,3	-24,9	-30,2	-31,3	-34,7	-37,7	-44,4	-76,0	-28,0
FLQI186	CTcellU1A3wetS	29,6	17,6	2,0	-6,4	-8,6	-9,9	-12,3	-18,6	-48,7	-2,4
FLQI188	CTcellU1A3wetN	2,6	-9,9	-24,6	-29,9	-31,0	-34,4	-37,4	-44,2	-75,8	-27,7
FLQI191	CTcellU1A4wetS	30,2	18,6	2,9	-5,2	-7,4	-8,9	-11,4	-17,7	-48,0	-1,4
FLQI193	CTcellU1A4wetN	2,6	-9,7	-24,3	-29,5	-30,6	-34,1	-37,1	-43,9	-75,7	-27,4
FLQI196	CTcellU1A5wetS	31,7	19,9	3,6	-4,8	-7,2	-8,9	-11,4	-17,9	-48,3	-0,7
FLQI198	CTcellU1A5wetN	5,4	-6,6	-20,8	-26,0	-27,1	-30,6	-33,6	-40,4	-72,5	-24,0
FLQI001	CTcellU4B5wetS	38,4	29,5	18,1	8,3	12,0	10,3	10,2	8,3	-10,5	16,6
FLQI003	CTcellU4B5wetN	8,9	-3,1	9,5	0,9	-2,5	-8,3	-12,2	-17,7	-42,5	-0,4
FLQI006	CTcellU4B4wetS	38,4	29,5	18,1	8,4	12,0	10,4	10,5	8,4	-10,4	16,8
FLQI008	CTcellU4B4wetN	8,3	-3,6	9,6	1,7	-2,6	-8,7	-12,8	-18,4	-43,0	-0,4
FLQI011	CTcellU4B3wetS	38,4	29,5	18,1	8,4	12,0	10,5	10,6	8,4	-10,3	16,8
FLQI013	CTcellU4B3wetN	7,9	-4,1	7,5	-0,6	-5,5	-10,9	-13,5	-18,4	-43,0	-2,6
FLQI016	CTcellU4B2wetS	38,4	29,5	18,1	8,4	12,0	10,5	10,6	8,4	-10,3	16,9
FLQI018	CTcellU4B2wetN	8,1	-3,8	7,5	-0,6	-5,5	-10,7	-13,3	-18,3	-43,0	-2,5
FLQI021	CTcellU4B1wetS	38,4	29,5	18,1	8,4	12,0	10,5	10,7	8,3	-10,4	16,8
FLQI023	CTcellU4B1wetN	8,7	-3,3	10,0	2,1	-1,9	-7,7	-12,0	-18,2	-43,0	0,2
FLQI026	CTcellU4A1wetS	38,4	29,5	18,1	8,3	11,9	10,5	10,6	8,2	-10,6	16,8
FLQI028	CTcellU4A1wetN	9,2	-2,8	10,0	1,9	-1,7	-7,5	-11,1	-16,4	-41,0	0,4
FLQI031	CTcellU4A2wetS	38,3	29,4	18,0	8,3	11,9	10,5	10,6	8,1	-10,9	16,8
FLQI033	CTcellU4A2wetN	9,7	-2,1	9,5	0,9	-3,1	-8,9	-13,1	-18,9	-43,7	-0,8
FLQI036	CTcellU4A3wetS	38,2	29,3	17,9	8,2	11,8	10,5	10,5	8,0	-11,3	16,7
FLQI038	CTcellU4A3wetN	10,2	-1,6	7,5	-1,6	-6,1	-11,3	-13,9	-19,0	-43,9	-3,1
FLQI041	CTcellU4A4wetS	38,1	29,2	17,8	8,1	11,7	10,4	10,5	7,8	-11,7	16,6
FLQI043	CTcellU4A4wetN	10,7	-1,2	7,4	-1,7	-4,9	-10,3	-12,9	-18,0	-43,1	-2,5
FLQI046	CTcellU4A5wetS	38,0	29,1	17,7	8,0	11,6	10,3	10,3	7,6	-12,2	16,4
FLQI048	CTcellU4A5wetN	11,1	-0,7	8,0	-0,2	-3,9	-8,9	-11,5	-16,7	-41,9	-1,4
FLQI051	CTcellU3B5wetS	39,3	27,9	8,6	-1,8	-5,0	-7,4	-9,6	-14,0	-36,5	5,1
FLQI053	CTcellU3B5wetN	6,6	-5,9	6,3	-2,4	-5,8	-11,9	-15,1	-21,0	-49,3	-3,7
FLQI056	CTcellU3B4wetS	35,5	23,5	5,8	-4,1	-7,0	-7,7	-9,6	-13,9	-36,3	1,9
FLQI058	CTcellU3B4wetN	6,1	-6,2	6,0	-1,9	-4,7	-9,6	-12,5	-18,4	-46,7	-2,6
FLQI061	CTcellU3B3wetS	34,0	22,1	5,3	-4,1	-7,0	-7,7	-9,6	-13,9	-36,3	1,0
FLQI063	CTcellU3B3wetN	4,7	-8,5	3,4	-4,7	-7,2	-12,3	-15,1	-20,9	-49,2	-5,2
FLQI066	CTcellU3B2wetS	33,4	21,4	5,3	-4,1	-7,0	-7,7	-9,6	-13,9	-36,3	0,7
FLQI068	CTcellU3B2wetN	4,9	-8,3	5,5	-3,3	-6,7	-12,3	-15,1	-20,9	-49,3	-4,4
FLQI071	CTcellU3B1wetS	33,1	21,2	5,7	-2,8	-5,0	-6,5	-8,5	-12,8	-35,3	1,3
FLQI073	CTcellU3B1wetN	6,4	-5,9	8,3	0,3	-3,2	-9,3	-13,8	-20,9	-49,3	-1,4
FLQI076	CTcellU3A1wetS	34,2	22,4	6,8	-2,2	-5,4	-9,7	-12,5	-18,0	-43,6	1,6
FLQI078	CTcellU3A1wetN	7,8	-4,1	4,8	-3,3	-6,6	-12,3	-15,8	-21,6	-49,8	-4,6

FLQi081	CTcellU3A2wetS		34,3	22,6	7,1	-1,4	-3,9	-6,4	-8,6	-13,0	-35,6	2,1
FLQi083	CTcellU3A2wetN		7,3	-5,1	4,6	-3,5	-6,8	-12,2	-15,5	-21,5	-50,1	-4,7
FLQi086	CTcellU3A3wetS		34,4	22,6	6,8	-1,7	-4,3	-6,6	-8,7	-13,1	-35,7	2,1
FLQi088	CTcellU3A3wetN		6,6	-6,6	7,3	-1,0	-4,4	-9,4	-12,2	-18,2	-47,0	-2,0
FLQi091	CTcellU3A4wetS		35,1	23,2	6,5	-2,7	-5,9	-7,9	-8,9	-13,1	-36,2	2,0
FLQi093	CTcellU3A4wetN		7,0	-6,2	5,3	-3,5	-7,5	-12,7	-15,6	-21,7	-50,6	-4,8
FLQi096	CTcellU3A5wetS		36,6	24,6	6,7	-2,6	-5,3	-6,8	-8,9	-13,4	-24,4	3,0
FLQi098	CTcellU3A5wetN		8,5	-3,7	3,4	-4,7	-7,7	-13,2	-16,0	-21,9	-50,6	-5,6
Total noise impact level (linear)		-71,5	59,4	53,5	46,0	37,9	40,2	34,0	27,6	22,6	0,6	
Total noise impact level (A-weighted)		-128,2	20,0	27,3	29,9	29,3	37,0	34,0	28,8	23,6	-0,5	40,4

Point calculation	Receiver point: Rockcliffe Cottages X = -158,00 Variant: CT Scenario A	Y = 633,00	Emission variant: Day Z = 16,50
-------------------	--	------------	------------------------------------

Noise prediction		16 Hz	31,5 Hz	63 Hz	125 Hz	250 Hz	500 Hz	1000 Hz	2000 Hz	4000 Hz	8000 Hz	L
Element	Label	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	L _i /dB	/dB(A)
FLQi105	CTpotU2B5		40,3	35,2	26,2	19,2	27,4	14,2	10,6	-9,7	-62,7	25,2
FLQi110	CTpotU2B4		39,7	35,4	26,3	19,3	27,5	14,4	11,0	-9,0	-61,0	25,4
FLQi115	CTpotU2B3		39,9	35,5	26,5	19,4	27,9	15,0	12,1	-7,0	-57,2	25,8
FLQi120	CTpotU2B2		40,1	35,7	26,7	19,6	28,2	15,3	12,8	-6,4	-55,4	26,1
FLQi125	CTpotU2B1		40,2	35,7	26,8	19,7	28,4	15,6	13,4	-5,6	-53,9	26,3
FLQi130	CTpotU2A1		40,4	36,1	27,2	20,1	28,7	16,0	13,3	-5,5	-52,7	26,6
FLQi135	CTpotU2A2		40,6	35,5	26,6	19,4	28,4	15,7	13,2	-5,1	-51,3	26,3
FLQi140	CTpotU2A3		40,8	35,7	26,9	19,7	28,6	16,0	13,6	-4,5	-49,9	26,6
FLQi145	CTpotU2A4		40,9	35,9	27,1	19,9	28,9	16,3	13,9	-4,0	-48,5	26,8
FLQi150	CTpotU2A5		41,1	36,1	27,5	20,3	29,3	16,7	14,4	-3,3	-47,0	27,2
FLQi155	CTpotU1B5		39,5	35,0	26,0	19,0	27,3	14,2	10,9	-9,8	-63,7	25,2
FLQi160	CTpotU1B4		39,4	35,1	26,1	19,1	27,4	14,4	11,1	-9,6	-62,9	25,3
FLQi165	CTpotU1B3		39,6	35,2	26,2	19,2	27,4	14,4	11,0	-9,7	-62,4	25,3
FLQi170	CTpotU1B2		39,7	35,4	26,3	19,3	27,7	14,8	11,7	-8,3	-59,4	25,6
FLQi175	CTpotU1B1		39,9	36,0	27,0	20,0	28,5	15,6	12,6	-7,1	-56,9	26,4
FLQi180	CTpotU1A1		40,0	36,7	27,9	21,0	29,3	16,4	13,4	-6,2	-55,4	27,2
FLQi185	CTpotU1A2		40,2	36,8	28,0	21,1	29,4	16,5	13,5	-5,8	-54,1	27,3
FLQi190	CTpotU1A3		40,4	36,9	28,0	21,2	29,5	16,6	13,7	-5,4	-52,8	27,4
FLQi195	CTpotU1A4		40,5	36,9	28,0	21,2	29,6	16,8	14,0	-4,9	-51,5	27,6
FLQi200	CTpotU1A5		40,7	35,7	28,3	21,3	29,8	17,0	14,3	-4,4	-50,1	27,7
FLQi005	CTpotU4B5		41,9	35,8	24,6	7,3	1,5	-1,5	-2,7	-13,6	-60,7	13,2
FLQi010	CTpotU4B4		42,1	36,0	24,8	7,5	1,7	-1,3	-2,4	-13,1	-59,2	13,4
FLQi015	CTpotU4B3		42,3	36,1	25,1	7,9	2,1	-0,9	-1,9	-12,5	-57,8	13,6
FLQi020	CTpotU4B2		42,5	36,3	25,3	8,2	2,4	-0,6	-1,5	-11,8	-56,4	13,9
FLQi025	CTpotU4B1		42,7	36,5	25,5	8,4	2,6	-0,3	-1,2	-11,3	-54,9	14,1
FLQi030	CTpotU4A1		42,9	36,7	25,7	8,6	2,8	-0,1	-0,9	-10,7	-53,4	14,3
FLQi035	CTpotU4A2		43,1	36,9	25,9	9,0	3,2	0,3	-0,5	-10,1	-51,9	14,5
FLQi040	CTpotU4A3		43,3	37,2	26,1	9,2	3,4	0,5	-0,2	-9,5	-50,4	14,7
FLQi045	CTpotU4A4		43,5	37,4	26,4	9,5	3,7	0,9	0,2	-8,9	-48,9	15,0
FLQi050	CTpotU4A5		43,7	37,6	26,4	9,2	3,6	0,8	0,2	-8,6	-47,5	15,1
FLQi055	CTpotU3B5		41,7	35,6	24,4	7,4	1,2	-1,9	-3,2	-14,2	-62,9	13,0
FLQi060	CTpotU3B4		41,9	35,7	24,6	7,6	1,5	-1,6	-2,7	-13,4	-61,0	13,2
FLQi065	CTpotU3B3		42,1	35,9	24,9	7,9	1,8	-1,2	-2,3	-12,8	-59,5	13,4
FLQi070	CTpotU3B2		42,2	36,1	25,1	8,2	2,1	-0,9	-2,0	-12,2	-58,0	13,6
FLQi075	CTpotU3B1		42,4	36,3	25,3	8,4	2,3	-0,7	-1,7	-12,0	-56,8	13,8
FLQi080	CTpotU3A1		42,6	36,5	25,5	8,5	2,5	-0,5	-1,4	-11,5	-55,4	14,0
FLQi085	CTpotU3A2		42,8	36,7	25,7	8,7	2,7	-0,2	-1,1	-10,9	-53,9	14,2
FLQi090	CTpotU3A3		43,0	36,9	25,8	8,9	2,9	0,0	-0,8	-10,4	-52,5	14,4
FLQi095	CTpotU3A4		43,2	37,1	26,0	9,2	3,1	0,3	-0,5	-9,9	-51,1	14,6
FLQi100	CTpotU3A5		43,4	37,3	26,1	9,2	3,2	0,4	-0,3	-9,4	-49,7	14,8
FLQi104	CTcellU2B5dryN		17,7	11,6	-0,4	-8,0	-12,6	-0,1	-6,1	-20,4	-76,3	1,5
FLQi109	CTcellU2B4dryN		16,9	11,8	-0,5	-8,0	-11,3	4,6	-1,7	-14,8	-68,6	6,0
FLQi114	CTcellU2B3dryN		17,4	12,5	0,5	-7,1	-11,2	6,0	-0,2	-12,7	-65,5	7,3
FLQi119	CTcellU2B2dryN		17,6	12,7	0,6	-7,0	-11,2	10,9	4,2	-8,0	-59,9	12,1
FLQi124	CTcellU2B1dryN		18,0	13,1	0,7	-7,0	-11,1	11,1	4,7	-7,4	-58,5	12,3
FLQi129	CTcellU2A1dryN		18,5	13,5	0,9	-6,8	-11,0	11,3	5,0	-6,9	-57,1	12,6
FLQi134	CTcellU2A2dryN		19,1	13,6	0,1	-8,0	-11,0	11,5	4,7	-6,9	-56,2	12,7
FLQi139	CTcellU2A3dryN		19,9	14,5	0,6	-7,9	-12,3	-15,6	-22,3	-33,6	-80,2	-7,1
FLQi144	CTcellU2A4dryN		21,3	15,9	1,8	-6,5	-10,3	-13,7	-20,7	-31,3	-76,9	-5,6
FLQi149	CTcellU2A5dryN		23,7	19,1	5,4	-2,9	-7,7	-11,1	-18,8	-30,3	-75,6	-2,5
FLQi154	CTcellU1B5dryN		14,4	11,0	-0,2	-7,5	-12,7	-16,3	-23,4	-36,9		-8,6
FLQi159	CTcellU1B4dryN		15,7	10,8	-0,8	-8,2	-12,2	-15,7	-22,6	-35,4	-88,9	-8,6
FLQi164	CTcellU1B3dryN		15,7	10,7	-1,8	-9,5	-13,9	-16,9	-23,8	-36,7		-9,6
FLQi169	CTcellU1B2dryN		16,0	10,8	-2,0	-9,9	-13,9	-16,8	-23,7	-36,4	-88,4	-9,6
FLQi174	CTcellU1B1dryN		16,4	10,8	-2,6	-10,7	-14,9	-17,4	-24,0	-36,3	-87,2	-10,1
FLQi179	CTcellU1A1dryN		16,9	11,7	-1,4	-9,3	-13,8	-16,8	-23,5	-35,8	-86,0	-9,1
FLQi184	CTcellU1A2dryN		17,5	12,2	-1,3	-9,5	-12,5	-15,9	-22,7	-34,7	-84,4	-8,6
FLQi189	CTcellU1A3dryN		18,4	12,8	-1,4	-8,8	-11,9	-15,5	-22,1	-33,7	-82,6	-8,0
FLQi194	CTcellU1A4dryN		19,8	14,6	1,3	-6,0	-9,5	-13,4	-20,4	-31,8	-79,7	-5,8
FLQi199	CTcellU1A5dryN		22,5	17,8	4,2	-3,8	-8,3	-12,1	-19,7	-31,6	-78,9	-3,6
FLQi432	CTcellU1B4dryS		29,7	26,8	18,0	12,7	8,3	2,8	-5,6	-21,3	-79,5	10,4
FLQi433	CTcellU2B2dryS		32,5	28,3	17,0	10,4	4,9	-0,8	-9,9	-23,9	-74,7	8,5
FLQi436	CTcellU2B4dryS		31,0	27,9	18,6	13,4	9,1	3,7	-4,6	-19,9	-76,6	11,2
FLQi439	CTcellU2A1dryS		32,0	28,7	19,4	13,1	11,8	9,6	3,4	-7,8	-55,4	14,2
FLQi441	CTcellU1B3dryS		30,2	27,1	17,9	12,3	7,9	2,6	-5,9	-21,7	-79,3	10,1
FLQi443	CTcellU2A2dryS		28,7	25,6	18,8	13,2	12,2	11,0	4,7	-6,2	-52,7	14,8
FLQi444	CTcellU1A2dryS		31,9	29,4	20,5	14,9	13,0	10,7	3,9	-7,8	-56,3	15,3
FLQi446	CTcellU1B5dryS		30,2	26,6	18,1	12,8	8,3	2,8	-5,8	-21,7	-80,6	10,4
FLQi447	CTcellU1B2dryS		31,0	27,7	18,1	12,7	8,4	3,0	-5,5	-21,3	-77,3	10,6
FLQi448	CTcellU1A4dryS		28,7	26,8	19,9	15,1	12,9	11,6	4,7	-6,2	-52,9	15,6
FLQi450	CTcellU2B1dryS		33,5	29,9	19,4	12,9	11,0	6,8	-0,3	-12,1	-60,9	12,9
FLQi451	CTcellU2B3dryS		31,7	28,4	18,7	13,3	8,9	3,5	-5,0	-20,5	-75,8	11,1
FLQi454	CTcellU2B5dryS		31,8	27,5	18,6	13,4	9,1	3,6	-4,8	-20,2	-77,7	11,1
FLQi455	CTcellU2A5dryS		29,3	26,1	19,4	13,6	13,2	12,2	5,6	-4,6	-48,6	15,8
FLQi456	CTcellU1A5dryS		28,9	25,8	20,0	14,9	13,0	11,8	5,0	-5,8	-51,6	15,7
FLQi458	CTcellU1B1dryS		32,0	28,6	18,5	12,9	8,4	3,0	-5,5	-21,4	-76,0	10,8
FLQi461	CTcellU1A1dryS		33,3	30,3	20,4	15,1	12,3	7,8	0,2	-12,6	-62,7	14,1
FLQi467	CTcellU2A3dryS		28,9	25,8	19,0	13,3	12,5	11,4	5,0	-5,7	-51,4	15,2
FLQi468	CTcellU2A4dryS		29,1	25,9	19,2	14,2	13,2	12,1	5,4	-5,1	-50,0	15,8
FLQi471	CTcellU1A3dryS		28,6	26,7	19,8	15,2	13,1	11,5	4,6	-6,7	-54,2	15,6
FLQi004	CTcellU4B5dryN		21,0	15,8	4,8	-4,6	-12,8	-11,8	5,1	-5,4	-55,5	7,0
FLQi009	CTcellU4B4dryN		21,0	16,0	5,1	-4,3	-12,5	-11,6	5,4	-4,8	-54,1	7,3
FLQi014	CTcellU4B3dryN		21,3	16,4	5,5	-2,9	-11,2	-10,7	5,7	-3,8	-52,5	7,6

FLQI019	CTcellU4B2dryN	21,6	16,8	5,9	-2,3	-10,4	-10,0	6,0	-3,2	-51,1	8,0
FLQI024	CTcellU4B1dryN	22,3	17,7	7,7	-0,5	-8,7	-8,6	6,3	-3,3	-50,1	8,3
FLQI029	CTcellU4A1dryN	22,8	18,3	8,2	-0,2	-8,4	-8,2	-18,8	-27,9	-72,8	-1,4
FLQI034	CTcellU4A2dryN	23,5	19,3	9,4	0,9	-7,0	-7,0	-17,7	-26,5	-70,4	-0,3
FLQI039	CTcellU4A3dryN	24,3	20,2	10,1	0,9	-6,4	-6,3	-17,2	-26,0	-69,1	0,3
FLQI044	CTcellU4A4dryN	25,4	21,6	11,6	2,2	-5,5	-5,2	-16,3	-25,4	-67,7	1,6
FLQI049	CTcellU4A5dryN	26,9	23,9	14,3	5,0	-2,7	-2,1	-13,6	-23,2	-65,5	4,3
FLQI054	CTcellU3B5dryN	19,4	14,0	3,4	-5,8	-13,8	-12,2	-0,1	-10,1	-62,1	2,2
FLQI059	CTcellU3B4dryN	19,2	13,9	3,7	-5,6	-13,6	11,9	4,9	-5,2	-56,3	13,0
FLQI064	CTcellU3B3dryN	19,4	14,3	4,0	-4,5	-12,7	12,3	5,2	-4,7	-55,0	13,4
FLQI069	CTcellU3B2dryN	19,8	14,8	4,4	-4,3	-12,4	14,4	5,5	-4,2	-53,6	15,2
FLQI074	CTcellU3B1dryN	20,2	15,3	4,8	-4,0	-12,1	16,1	5,8	-3,6	-52,2	16,7
FLQI079	CTcellU3A1dryN	20,9	16,2	6,5	-2,1	-10,2	16,4	6,0	-3,7	-51,3	17,0
FLQI084	CTcellU3A2dryN	21,5	16,9	7,0	-1,8	-8,9	-8,8	-19,2	-28,4	-73,8	-2,5
FLQI089	CTcellU3A3dryN	22,4	18,1	8,4	-0,5	-7,6	-7,5	-18,2	-27,1	-71,5	-1,3
FLQI094	CTcellU3A4dryN	23,6	19,5	9,5	0,2	-6,9	-6,7	-17,7	-26,7	-70,2	-0,3
FLQI099	CTcellU3A5dryN	25,7	22,4	12,9	3,9	-4,1	-3,8	-15,3	-25,0	-68,4	2,8
FLQI434	CTcellU3B4dryS	33,4	30,4	23,5	16,4	7,6	5,3	-7,7	-20,2	-71,4	13,2
FLQI435	CTcellU4A1dryS	29,7	27,6	24,8	17,6	12,6	13,2	5,0	-2,6	-46,6	17,1
FLQI437	CTcellU3A5dryS	30,3	28,3	25,6	18,7	14,9	16,5	7,2	-1,0	-42,7	19,4
FLQI438	CTcellU3B3dryS	34,0	31,4	24,7	17,4	10,9	10,0	-1,4	-11,9	-60,4	15,5
FLQI440	CTcellU4B2dryS	29,3	27,2	24,4	17,2	12,2	12,5	3,8	-3,7	-49,6	16,5
FLQI442	CTcellU4B3dryS	29,1	27,0	24,2	17,0	11,9	12,2	3,2	-4,3	-51,1	16,2
FLQI445	CTcellU4A3dryS	30,2	28,1	25,3	18,0	13,1	14,0	6,0	-1,4	-43,7	17,7
FLQI449	CTcellU4A2dryS	29,9	27,8	25,1	17,8	12,8	13,6	5,6	-2,0	-45,1	17,4
FLQI452	CTcellU3A2dryS	29,7	27,6	24,9	18,1	13,1	14,7	6,1	-2,7	-47,1	18,0
FLQI453	CTcellU4A5dryS	30,6	28,5	25,8	18,5	13,6	14,7	6,9	-0,3	-40,7	18,4
FLQI457	CTcellU3B5dryS	32,8	29,6	22,9	15,8	7,1	4,7	-8,3	-21,0	-72,8	12,6
FLQI459	CTcellU3B1dryS	29,3	27,2	24,5	17,7	12,7	13,8	5,5	-3,8	-50,0	17,4
FLQI460	CTcellU3B2dryS	34,6	32,3	25,7	17,6	12,5	12,8	1,8	-8,3	-55,9	17,1
FLQI462	CTcellU3A1dryS	29,5	27,4	24,7	17,9	12,9	14,2	5,8	-3,3	-48,5	17,7
FLQI463	CTcellU4B4dryS	28,9	26,8	24,0	16,8	11,7	11,9	2,7	-5,0	-52,6	16,0
FLQI464	CTcellU4A4dryS	30,4	28,3	25,5	18,2	13,3	14,3	6,5	-0,9	-42,2	18,1
FLQI465	CTcellU4B5dryS	28,8	26,6	23,8	16,6	11,5	11,6	2,2	-5,8	-54,1	15,7
FLQI466	CTcellU3A3dryS	29,9	27,8	25,1	18,3	13,4	15,1	6,4	-2,2	-45,6	18,3
FLQI469	CTcellU3A4dryS	30,1	28,0	25,3	18,5	14,1	15,8	6,8	-1,6	-44,2	18,9
FLQI470	CTcellU4B1dryS	29,5	27,4	24,6	17,4	12,4	12,9	4,3	-3,1	-48,1	16,8
FLQI101	CTcellU2B5wetS	33,2	23,2	10,3	3,9	1,2	-4,1	-10,1	-23,4	-70,7	4,0
FLQI103	CTcellU2B5wetN	18,9	7,4	-6,9	-14,6	-16,7	-10,6	-15,3	-28,7	-77,4	-7,7
FLQI106	CTcellU2B4wetS	30,8	23,2	10,3	4,0	1,6	-3,2	-9,0	-22,3	-69,3	4,1
FLQI108	CTcellU2B4wetN	16,6	7,7	-6,9	-14,9	-16,2	-2,7	-8,0	-20,4	-68,8	-1,0
FLQI111	CTcellU2B3wetS	30,9	23,1	10,1	3,7	1,1	-4,0	-9,9	-22,9	-67,9	3,8
FLQI113	CTcellU2B3wetN	16,6	6,2	-8,8	-16,7	-18,2	-0,2	-5,2	-17,1	-64,7	1,4
FLQI116	CTcellU2B2wetS	31,2	20,4	6,2	-1,9	-5,9	-10,6	-15,1	-24,6	-66,7	-0,6
FLQI118	CTcellU2B2wetN	16,6	6,0	-9,2	-17,5	-19,0	1,4	-2,4	-12,6	-57,3	3,5
FLQI121	CTcellU2B1wetS	32,5	22,7	10,1	3,9	1,1	-4,2	-9,8	-21,1	-64,0	3,8
FLQI123	CTcellU2B1wetN	16,7	6,0	-9,2	-17,5	-18,9	1,6	-2,1	-12,1	-56,0	3,8
FLQI126	CTcellU2A1wetS	32,4	23,1	11,1	5,5	3,8	-0,3	-4,3	-13,5	-53,8	6,2
FLQI128	CTcellU2A1wetN	16,7	6,1	-9,2	-17,4	-18,8	3,6	1,2	-8,5	-51,6	6,3
FLQI131	CTcellU2A2wetS	32,3	23,4	11,8	6,7	5,5	1,8	-1,7	-10,5	-49,9	7,8
FLQI133	CTcellU2A2wetN	16,7	7,2	-7,8	-15,9	-17,0	5,4	3,1	-6,4	-48,6	8,1
FLQI136	CTcellU2A3wetS	32,5	23,6	12,0	6,8	5,8	2,1	-1,5	-10,1	-48,8	8,0
FLQI138	CTcellU2A3wetN	17,0	7,2	-7,7	-15,3	-16,6	-20,4	-24,2	-33,5	-73,2	-12,9
FLQI141	CTcellU2A4wetS	32,7	23,7	12,2	7,2	6,1	2,3	-1,6	-10,4	-48,7	8,2
FLQI143	CTcellU2A4wetN	17,0	5,9	-9,3	-17,3	-18,6	-22,2	-25,7	-34,2	-72,9	-14,3
FLQI146	CTcellU2A5wetS	33,5	24,1	12,1	6,6	5,4	1,2	-3,1	-12,2	-50,3	7,5
FLQI148	CTcellU2A5wetN	19,4	8,6	-5,6	-13,2	-15,6	-19,2	-22,7	-31,0	-69,0	-11,3
FLQI151	CTcellU1B5wetS	32,6	23,1	9,8	3,1	0,2	-5,3	-11,6	-24,9	-73,1	3,2
FLQI153	CTcellU1B5wetN	13,0	3,5	-11,0	-18,3	-20,2	-24,1	-28,4	-39,5	-87,1	-16,5
FLQI156	CTcellU1B4wetS	32,4	23,8	9,9	3,4	0,8	-4,2	-10,1	-23,6	-71,8	3,8
FLQI158	CTcellU1B4wetN	14,2	5,3	-9,2	-16,8	-18,5	-22,4	-26,6	-37,9	-85,1	-14,9
FLQI161	CTcellU1B3wetS	32,8	23,9	9,6	3,1	0,6	-4,3	-10,2	-23,8	-71,3	3,7
FLQI163	CTcellU1B3wetN	15,8	6,3	-8,4	-15,7	-17,2	-21,1	-25,2	-36,1	-82,2	-13,7
FLQI166	CTcellU1B2wetS	33,4	24,3	10,0	3,4	1,0	-4,0	-9,9	-23,2	-69,2	4,1
FLQI168	CTcellU1B2wetN	15,8	6,0	-9,1	-16,9	-18,4	-22,3	-26,5	-37,3	-82,4	-14,5
FLQI171	CTcellU1B1wetS	34,1	24,8	10,2	3,5	1,0	-3,9	-9,6	-22,8	-67,8	4,4
FLQI173	CTcellU1B1wetN	15,8	6,5	-8,4	-16,2	-17,7	-21,6	-25,9	-36,7	-81,2	-13,9
FLQI176	CTcellU1A1wetS	35,6	26,3	12,1	6,0	3,5	-1,5	-7,5	-20,8	-65,8	6,4
FLQI178	CTcellU1A1wetN	16,0	6,3	-8,5	-15,8	-17,2	-21,1	-25,1	-35,3	-78,5	-13,7
FLQI181	CTcellU1A2wetS	36,7	27,3	12,7	6,4	4,5	0,2	-4,2	-13,9	-55,1	7,7
FLQI183	CTcellU1A2wetN	16,0	6,4	-8,1	-14,9	-15,7	-19,5	-23,5	-33,4	-76,2	-12,7
FLQI186	CTcellU1A3wetS	37,9	28,6	13,5	7,3	6,2	2,5	-1,5	-10,7	-51,2	9,3
FLQI188	CTcellU1A3wetN	16,0	6,8	-7,9	-15,1	-16,0	-19,9	-23,9	-33,9	-76,0	-12,8
FLQI191	CTcellU1A4wetS	38,7	29,9	14,4	7,3	7,2	4,8	1,0	-8,3	-48,4	10,8
FLQI193	CTcellU1A4wetN	16,0	5,2	-9,1	-17,3	-18,8	-22,6	-26,7	-36,6	-77,9	-14,8
FLQI196	CTcellU1A5wetS	32,6	23,7	12,8	7,4	7,3	5,6	3,3	-5,3	-44,0	10,6
FLQI198	CTcellU1A5wetN	18,6	7,8	-5,6	-13,0	-15,1	-19,0	-22,8	-32,2	-72,3	-11,4
FLQI001	CTcellU4B5wetS	31,7	22,8	11,2	4,0	4,7	1,0	-2,7	-12,2	-54,6	6,8
FLQI003	CTcellU4B5wetN	17,5	6,0	-8,3	-15,9	-17,4	-21,1	-2,2	-12,2	-56,3	-0,5
FLQI006	CTcellU4B4wetS	31,9	23,0	11,4	4,1	4,9	1,3	-2,4	-11,7	-53,1	7,0
FLQI008	CTcellU4B4wetN	20,0	8,3	-6,2	-14,0	-15,8	-19,5	-1,9	-11,7	-54,8	0,0
FLQI011	CTcellU4B3wetS	32,1	23,2	11,6	4,2	5,2	1,5	-2,1	-11,1	-51,6	7,2
FLQI013	CTcellU4B3wetN	20,1	8,4	-6,1	-12,5	-14,2	-17,9	-1,6	-11,1	-53,4	0,3
FLQI016	CTcellU4B2wetS	32,3	23,4	11,8	4,4	5,4	1,8	-1,8	-10,5	-50,1	7,5
FLQI018	CTcellU4B2wetN	18,7	7,7	-7,1	-14,5	-16,3	-20,0	-1,4	-10,5	-51,9	0,5
FLQI021	CTcellU4B1wetS	32,5	23,6	12,0	4,5	5,6	2,0	-1,4	-10,0	-48,5	7,7
FLQI023	CTcellU4B1wetN	18,8	7,5	-7,7	-15,2	-17,0	-20,6	-1,1	-10,1	-50,6	0,8
FLQI026	CTcellU4A1wetS	32,7	23,8	12,2	4,6	5,9	2,3	-1,1	-9,4	-46,9	8,0
FLQI028	CTcellU4A1wetN	18,9	7,6	-7,6	-15,0	-16,8	-20,4	-23,9	-32,4	-70,8	-12,5
FLQI031	CTcellU4A2wetS	32,9	24,0	12,4	4,8	6,1	2,6	-0,8	-8,7	-45,3	8,3
FLQI033	CTcellU4A2wetN	19,7	9,0	-7,6	-15,7	-16,8	-18,5	-21,5	-29,8	-67,2	-11,4
FLQI036	CTcellU4A3wetS	33,1	24,2	12,6	4,9	6,4	2,8	-0,4	-8,1	-43,7	8,5
FLQI038	CTcellU4A3wetN	20,1	9,5	-6,7	-14,0	-14,8	-17,1	-20,1	-28,3	-65,1	-10,3
FLQI041	CTcellU4A4wetS	33,3	24,4	12,9	5,1	6,6	3,1	0,0	-7,4	-42,0	8,8
FLQI043	CTcellU4A4wetN	20,9	10,5	-5,4	-13,4	-14,6	-16,8	-19,9	-27,8	-63,7	-9,7
FLQI046	CTcellU4A5wetS	33,6	24,6	13,1	5,2	6,9	3,4	0,4	-6,8	-40,3	9,1
FLQI048	CTcellU4A5wetN	22,9	12,6	-2,0	-9,5	-11,8	-14,9	-18,0	-25,6	-60,5	-7,3
FLQI051	CTcellU3B5wetS	31,2	20,7	6,8	-0,8	-4,5	-9,8	-15,0	-25,6	-69,0	0,0
FLQI053	CTcellU3B5wetN	18,7	7,3	-8,5	-16,0	-16,9	-19,1	-4,2	-15,5	-62,6	-2,3
FLQI056	CTcellU3B4wetS	31,3	21,0	7,5	-0,2	-4,2	-9,6	-14,8	-25,1	-67,6	0,3
FLQI058	CTcellU3B4wetN	19,2	8,7	-6,7	-14,4	-15,6	-1,5	-2,4	-12,5	-57,1	2,0
FLQI061	CTcellU3B3wetS	31,8	22,1	9,4	3,1	0,4	-4,9	-10,4	-21,6	-64,4	3,1
FLQI063	CTcellU3B3wetN	19,2	8,8	-6,6	-13,6	-14,8	-1,2	-2,1	-12,0	-55,8	2,3

FLQI066	CTcellU3B2wetS		32,3	23,0	10,8	4,9	2,6	-2,5	-7,9	-19,1	-61,8	4,8
FLQI068	CTcellU3B2wetN		19,2	8,7	-7,1	-14,3	-15,4	0,7	-1,9	-11,5	-54,4	3,4
FLQI071	CTcellU3B1wetS		34,7	25,0	12,0	6,3	5,4	1,8	-1,8	-10,6	-50,4	7,9
FLQI073	CTcellU3B1wetN		19,3	8,8	-7,0	-14,1	-15,3	2,1	-1,6	-10,9	-53,0	4,3
FLQI076	CTcellU3A1wetS		34,3	24,7	12,1	6,5	5,6	2,0	-1,5	-10,1	-48,9	8,1
FLQI078	CTcellU3A1wetN		19,6	9,2	-6,2	-13,2	-14,3	2,4	-1,3	-10,5	-51,7	4,6
FLQI081	CTcellU3A2wetS		34,1	24,6	12,3	6,7	5,8	2,2	-1,2	-9,6	-47,5	8,3
FLQI083	CTcellU3A2wetN		19,6	9,3	-5,8	-12,7	-13,6	-16,3	-19,6	-28,2	-67,2	-9,7
FLQI086	CTcellU3A3wetS		33,9	24,5	12,4	6,9	6,0	2,4	-1,0	-9,2	-46,4	8,4
FLQI088	CTcellU3A3wetN		19,2	8,8	-6,9	-13,9	-14,6	-17,0	-20,2	-28,7	-66,8	-10,5
FLQI091	CTcellU3A4wetS		33,8	24,5	12,6	7,1	6,3	2,5	-1,2	-9,6	-46,4	8,5
FLQI093	CTcellU3A4wetN		19,5	9,2	-6,2	-13,7	-14,4	-16,8	-19,9	-28,1	-65,2	-10,2
FLQI096	CTcellU3A5wetS		33,7	24,4	12,4	6,8	6,0	1,6	-2,7	-11,6	-48,3	7,9
FLQI098	CTcellU3A5wetN		21,1	10,7	-4,2	-12,0	-13,7	-16,2	-19,2	-27,2	-63,3	-9,1
Total noise impact level (linear)		-68,8	58,6	53,2	44,1	35,9	41,8	32,1	27,6	14,3	-28,7	
Total noise impact level (A-weighted)		-125,5	19,2	27,0	28,0	27,3	38,6	32,1	28,8	15,3	-29,8	40,6

Point calculation	Receiver point: Wdfld Railway Cottag	Emission variant: Day
	X = -138,00	Z = 13,90
	Y = 333,00	
	Variant: CT Scenario A	

Noise prediction												
Element	Label	16 Hz L _i /dB	31,5 Hz L _i /dB	63 Hz L _i /dB	125 Hz L _i /dB	250 Hz L _i /dB	500 Hz L _i /dB	1000 Hz L _i /dB	2000 Hz L _i /dB	4000 Hz L _i /dB	8000 Hz L _i /dB	L /dB(A)
FLQI105	CTpotU2B5		43,5	38,7	29,1	22,4	28,5	14,2	10,2	-7,7	-43,8	26,5
FLQI110	CTpotU2B4		41,7	36,9	27,6	21,1	28,2	14,6	11,4	-5,6	-40,5	26,2
FLQI115	CTpotU2B3		39,2	34,0	24,9	18,4	25,7	12,2	9,0	-7,6	-41,7	23,6
FLQI120	CTpotU2B2		39,4	34,2	24,9	18,4	25,4	11,7	8,5	-8,1	-41,5	23,3
FLQI125	CTpotU2B1		39,6	34,2	24,7	18,2	24,4	10,2	6,5	-10,2	-43,2	22,3
FLQI130	CTpotU2A1		39,8	34,5	25,1	18,6	25,3	12,2	9,2	-6,9	-39,5	23,4
FLQI135	CTpotU2A2		40,2	35,1	26,0	19,4	27,6	15,3	13,3	-1,4	-31,3	25,6
FLQI140	CTpotU2A3		40,5	35,4	26,5	19,6	28,9	17,6	16,3	2,3	-26,4	27,2
FLQI145	CTpotU2A4		40,7	35,7	26,8	19,9	29,0	16,8	15,6	2,0	-25,5	27,1
FLQI150	CTpotU2A5		40,9	35,9	27,0	20,1	29,2	17,1	15,9	2,5	-24,4	27,3
FLQI155	CTpotU1B5		42,7	37,8	28,0	21,1	26,9	12,2	7,8	-10,8	-49,6	24,9
FLQI160	CTpotU1B4		43,0	38,1	28,4	21,8	27,7	13,4	9,3	-8,9	-46,6	25,7
FLQI165	CTpotU1B3		43,2	38,4	28,8	22,2	28,3	14,1	10,1	-8,0	-45,0	26,3
FLQI170	CTpotU1B2		43,7	39,0	29,8	23,3	30,8	17,5	14,4	-2,6	-38,4	28,7
FLQI175	CTpotU1B1		43,9	39,3	30,1	23,6	31,2	18,0	15,0	-1,7	-36,8	29,1
FLQI180	CTpotU1A1		39,8	35,6	26,2	19,6	26,5	13,1	9,8	-7,1	-41,8	24,5
FLQI185	CTpotU1A2		39,2	35,2	25,8	19,4	25,9	12,0	8,3	-9,0	-43,3	23,9
FLQI190	CTpotU1A3		39,5	35,5	26,4	19,6	28,0	15,4	13,7	-1,0	-32,1	26,0
FLQI195	CTpotU1A4		39,7	34,7	26,4	19,6	28,2	15,9	14,4	0,0	-30,4	26,3
FLQI200	CTpotU1A5		39,9	34,8	25,9	19,1	28,1	15,9	14,5	0,4	-29,5	26,2
FLQI005	CTpotU4B5		42,0	35,9	24,8	7,7	2,2	-0,4	0,4	-6,1	-34,2	13,6
FLQI010	CTpotU4B4		42,3	36,2	25,7	8,8	3,1	0,5	1,0	-5,0	-32,2	14,2
FLQI015	CTpotU4B3		42,6	36,5	25,6	8,7	3,1	0,5	2,6	-3,5	-30,5	14,4
FLQI020	CTpotU4B2		42,9	36,8	26,2	9,6	3,9	1,9	3,1	-2,6	-28,7	15,0
FLQI025	CTpotU4B1		43,2	37,1	26,6	9,9	4,1	2,9	3,1	-2,3	-27,4	15,3
FLQI030	CTpotU4A1		43,6	37,4	27,0	10,3	4,5	2,3	2,6	-2,5	-26,4	15,5
FLQI035	CTpotU4A2		43,9	37,8	27,5	10,8	5,0	3,6	3,9	-1,1	-24,6	16,1
FLQI040	CTpotU4A3		44,2	38,1	27,0	11,1	5,3	2,8	3,2	-1,4	-23,7	16,0
FLQI045	CTpotU4A4		44,6	38,5	27,4	11,3	5,6	3,1	3,5	-1,0	-22,5	16,4
FLQI050	CTpotU4A5		45,0	38,8	28,8	12,2	6,5	4,0	4,6	0,4	-20,2	17,2
FLQI055	CTpotU3B5		41,2	34,7	23,1	6,9	-1,6	-5,9	-8,0	-16,8	-48,7	11,8
FLQI060	CTpotU3B4		41,3	34,7	22,8	6,4	-2,8	-7,5	-9,8	-18,6	-49,8	11,6
FLQI065	CTpotU3B3		41,7	35,2	23,5	7,3	-1,3	-5,5	-5,5	-14,4	-46,0	12,3
FLQI070	CTpotU3B2		42,0	35,6	24,1	8,2	-0,3	-4,3	-4,3	-12,9	-43,7	12,8
FLQI075	CTpotU3B1		42,1	35,3	23,2	6,6	-2,7	-1,2	-1,7	-9,0	-39,9	12,5
FLQI080	CTpotU3A1		42,7	36,5	25,2	8,9	2,1	1,0	0,9	-5,2	-32,0	14,1
FLQI085	CTpotU3A2		43,0	36,9	26,2	9,6	3,7	2,4	2,7	-2,8	-28,1	15,0
FLQI090	CTpotU3A3		43,3	37,2	26,5	10,0	4,1	1,9	2,3	-2,8	-27,1	15,2
FLQI095	CTpotU3A4		43,6	37,5	26,9	10,4	4,5	2,0	2,4	-2,4	-25,9	15,5
FLQI100	CTpotU3A5		43,9	37,8	26,7	10,0	4,3	2,1	2,5	-2,3	-25,0	15,6
FLQI104	CTcellU2B5dryN		15,2	12,2	1,6	7,9	5,3	0,2	-8,4	-18,8	-55,7	5,8
FLQI109	CTcellU2B4dryN		15,6	11,1	0,1	8,6	2,8	-2,5	-11,0	-20,9	-56,7	4,2
FLQI114	CTcellU2B3dryN		17,3	12,2	1,6	11,8	6,0	0,9	-7,5	-17,4	-52,6	7,4
FLQI119	CTcellU2B2dryN		16,7	10,8	-0,5	11,8	6,1	1,9	-6,6	-16,6	-51,4	7,8
FLQI124	CTcellU2B1dryN		16,3	10,2	-1,8	11,6	7,0	1,6	-6,9	-16,3	-50,6	7,9
FLQI129	CTcellU2A1dryN		17,6	11,9	0,8	11,9	10,1	3,7	-4,4	-14,2	-48,6	10,0
FLQI134	CTcellU2A2dryN		17,6	11,4	-1,0	18,3	16,3	11,5	5,0	-3,4	-38,0	16,9
FLQI139	CTcellU2A3dryN		18,1	11,9	-0,6	18,4	17,6	16,7	11,0	3,8	-28,9	20,2
FLQI144	CTcellU2A4dryN		19,0	13,0	0,2	15,5	14,4	13,8	8,2	1,1	-31,1	17,2
FLQI149	CTcellU2A5dryN		21,8	16,5	4,3	-4,3	-7,3	-10,5	-16,2	-22,5	-50,9	-3,4
FLQI154	CTcellU1B5dryN		13,5	10,8	0,4	-6,6	-11,1	-13,9	-19,7	-28,5	-65,9	-7,4
FLQI159	CTcellU1B4dryN		15,2	10,4	-0,2	-6,0	-9,0	-12,2	-18,0	-26,3	-62,6	-6,4
FLQI164	CTcellU1B3dryN		14,6	11,0	0,5	-6,4	-9,5	-12,7	-18,6	-27,2	-63,2	-6,6
FLQI169	CTcellU1B2dryN		14,5	9,6	-1,4	-7,0	-10,1	-13,1	-18,8	-26,8	-61,8	-7,3
FLQI174	CTcellU1B1dryN		13,9	9,6	-1,5	-8,2	-11,3	-13,6	-19,5	-27,9	-62,6	-8,0
FLQI179	CTcellU1A1dryN		14,1	9,0	-2,5	-9,4	-12,4	-13,8	-19,7	-28,0	-61,9	-8,7
FLQI184	CTcellU1A2dryN		15,5	10,8	-0,3	-7,3	-10,4	-12,7	-18,7	-26,9	-60,2	-7,0
FLQI189	CTcellU1A3dryN		15,8	10,7	-0,6	-7,4	-10,9	-13,1	-19,1	-27,2	-60,1	-7,3
FLQI194	CTcellU1A4dryN		16,7	10,8	-0,5	-8,6	-10,5	-13,6	-19,1	-26,4	-58,4	-7,4
FLQI199	CTcellU1A5dryN		19,5	14,1	2,7	-5,7	-9,2	-12,8	-18,8	-26,3	-57,7	-5,4
FLQI432	CTcellU1B4dryS		30,3	28,3	20,0	14,6	9,7	3,9	-4,0	-14,3	-50,9	11,9
FLQI433	CTcellU2B2dryS		32,2	26,9	16,0	7,7	1,5	-3,0	-8,9	-15,7	-46,6	6,6
FLQI436	CTcellU2B4dryS		30,8	25,5	15,4	8,6	3,1	-2,1	-8,3	-15,5	-48,0	6,7
FLQI439	CTcellU2A1dryS		33,7	28,5	18,0	12,6	7,1	1,1	-5,2	-11,8	-41,8	10,1
FLQI441	CTcellU1B3dryS		30,0	27,9	19,4	13,7	8,6	2,5	-5,5	-15,4	-50,7	11,0
FLQI443	CTcellU2A2dryS		35,1	30,1	19,0	12,5	7,1	1,8	-4,8	-11,5	-40,6	10,7
FLQI444	CTcellU1A2dryS		33,1	28,5	17,8	11,3	6,2	0,7	-6,0	-13,4	-45,8	9,5
FLQI446	CTcellU1B5dryS		29,5	27,6	19,2	13,7	8,7	2,6	-5,5	-15,8	-52,9	11,0
FLQI447	CTcellU1B2dryS		30,4	28,0	19,5	14,3	9,6	3,9	-3,9	-14,2	-49,6	11,8
FLQI448	CTcellU1A4dryS		35,9	32,7	24,3	17,6	16,4	15,1	9,3	2,2	-28,4	19,3
FLQI450	CTcellU2B1dryS		32,8	27,6	17,1	11,2	5,5	-0,2	-6,6	-13,4	-44,0	8,8
FLQI451	CTcellU2B3dryS		31,7	26,5	15,8	7,6	1,4	-3,2	-9,2	-16,2	-47,8	6,3
FLQI454	CTcellU2B5dryS		30,4	25,1	15,1	8,4	3,0	-2,2	-8,6	-16,0	-49,2	6,5
FLQI455	CTcellU2A5dryS		34,7	32,0	26,7	19,0	17,9	18,1	12,8	7,0	-19,9	21,8
FLQI456	CTcellU1A5dryS		33,6	30,9	25,4	17,8	16,8	16,8	11,3	4,8	-25,1	20,5
FLQI458	CTcellU1B1dryS		31,4	27,8	18,2	11,6	6,6	0,6	-6,6	-14,8	-48,2	9,5
FLQI461	CTcellU1A1dryS		32,1	28,0	17,9	11,8	5,9	-0,2	-6,8	-14,4	-47,1	9,3

FLQI467	CTcellU2A3dryS	37,5	33,6	23,3	16,6	12,5	8,0	0,6	-7,6	-37,9	15,3
FLQI468	CTcellU2A4dryS	34,4	31,7	26,3	18,6	17,6	17,8	12,4	6,5	-21,0	21,5
FLQI471	CTcellU1A3dryN	35,1	30,3	18,9	10,8	6,6	2,0	-4,7	-12,4	-44,0	10,3
FLQI004	CTcellU4B5dryN	22,1	16,7	8,6	0,0	4,9	3,2	-7,8	-15,1	-46,0	6,3
FLQI009	CTcellU4B4dryN	21,8	16,5	8,8	0,2	6,4	3,3	-6,5	-13,5	-44,4	7,0
FLQI014	CTcellU4B3dryN	21,7	16,3	7,9	-1,9	6,2	5,6	-5,9	-12,9	-43,0	8,0
FLQI019	CTcellU4B2dryN	22,0	16,7	8,3	-1,6	10,1	13,0	1,9	-4,9	-36,0	14,4
FLQI024	CTcellU4B1dryN	22,4	17,2	8,7	-1,3	18,0	18,0	7,8	1,9	-28,1	20,1
FLQI029	CTcellU4A1dryN	22,9	17,8	9,2	-1,0	20,1	23,5	14,1	9,5	-18,2	25,0
FLQI034	CTcellU4A2dryN	23,7	18,9	10,9	19,2	20,4	23,6	14,4	10,0	-17,0	25,4
FLQI039	CTcellU4A3dryN	24,5	19,8	11,6	22,4	20,7	23,9	14,7	10,6	-15,7	25,8
FLQI044	CTcellU4A4dryN	25,9	21,4	13,3	4,0	-2,0	-1,6	-10,4	-13,8	-37,0	3,8
FLQI049	CTcellU4A5dryN	28,8	25,0	17,1	7,6	-0,4	0,1	-9,5	-13,2	-35,7	6,6
FLQI054	CTcellU3B5dryN	18,8	13,9	6,8	-1,5	9,4	8,1	-4,3	-12,7	-46,6	10,6
FLQI059	CTcellU3B4dryN	18,7	13,9	6,6	-1,0	7,7	5,9	-6,4	-14,1	-46,6	8,6
FLQI064	CTcellU3B3dryN	18,2	13,2	5,4	-2,8	5,4	3,1	-9,1	-16,4	-47,8	6,2
FLQI069	CTcellU3B2dryN	19,9	15,3	8,5	14,5	8,0	6,6	-5,3	-12,4	-43,6	10,9
FLQI074	CTcellU3B1dryN	20,3	15,7	8,7	17,0	9,3	7,9	-4,2	-10,9	-41,6	12,6
FLQI079	CTcellU3A1dryN	20,5	15,6	8,0	22,1	14,7	14,5	3,6	-3,3	-35,5	18,4
FLQI084	CTcellU3A2dryN	21,1	16,2	8,4	24,1	19,4	22,7	13,2	8,1	-21,6	24,7
FLQI089	CTcellU3A3dryN	21,8	16,9	8,9	24,3	20,3	23,0	13,5	8,6	-20,5	25,1
FLQI094	CTcellU3A4dryN	22,9	18,0	9,3	21,5	16,8	19,9	10,6	5,8	-22,6	22,1
FLQI099	CTcellU3A5dryN	25,5	21,5	13,3	3,3	-4,0	-3,3	-13,0	-17,0	-41,7	2,9
FLQI434	CTcellU3B4dryS	33,7	29,5	23,0	13,9	4,0	2,6	-7,5	-12,6	-42,3	11,5
FLQI435	CTcellU4A1dryS	36,3	34,8	33,7	23,8	19,2	23,3	14,7	11,0	-13,4	26,1
FLQI437	CTcellU3A5dryS	36,6	35,1	33,9	25,0	20,2	24,2	15,3	11,9	-11,6	26,9
FLQI438	CTcellU3B3dryS	34,0	29,8	22,8	13,5	3,9	2,7	-7,2	-12,1	-40,9	11,4
FLQI440	CTcellU4B2dryS	35,5	34,0	32,8	23,1	18,4	22,5	13,8	9,7	-16,5	25,2
FLQI442	CTcellU4B3dryS	35,1	33,6	32,3	22,7	18,0	22,1	13,3	9,0	-18,1	24,8
FLQI445	CTcellU4A3dryS	37,1	35,6	34,6	24,6	20,0	24,2	15,7	12,5	-10,3	27,0
FLQI449	CTcellU4A2dryS	36,6	35,2	34,2	24,2	19,6	23,7	15,2	11,7	-11,8	26,5
FLQI452	CTcellU3A2dryS	38,7	35,7	29,6	22,7	14,8	13,9	2,5	-3,9	-31,8	20,0
FLQI453	CTcellU4A5dryS	37,9	36,6	35,6	25,5	20,9	25,1	16,7	13,9	-7,2	27,9
FLQI457	CTcellU3B5dryS	33,4	29,5	24,0	16,5	7,3	5,2	-5,8	-11,2	-41,6	13,2
FLQI459	CTcellU3B1dryS	35,5	31,3	24,0	14,4	4,8	3,7	-6,4	-10,9	-38,1	12,5
FLQI460	CTcellU3B2dryS	34,6	30,4	23,2	13,7	4,1	2,9	-6,9	-11,5	-39,6	11,7
FLQI462	CTcellU3A1dryS	36,7	32,8	25,6	18,7	9,5	7,7	-3,4	-8,6	-35,5	15,5
FLQI463	CTcellU4B4dryS	34,8	33,2	31,9	22,3	17,7	21,7	12,9	8,3	-19,6	24,4
FLQI464	CTcellU4A4dryS	37,5	36,1	35,1	25,0	20,5	24,6	16,2	13,2	-8,8	27,5
FLQI465	CTcellU4B5dryS	34,5	32,9	31,5	22,0	17,3	21,3	12,4	7,6	-21,2	24,0
FLQI466	CTcellU3A3dryS	38,5	36,4	32,3	24,4	19,6	22,2	12,9	8,7	-16,5	25,3
FLQI469	CTcellU3A4dryS	36,3	34,7	33,5	24,7	19,8	23,8	14,9	11,3	-12,9	26,5
FLQI470	CTcellU4B1dryS	35,9	34,4	33,2	23,4	18,8	22,9	14,2	10,3	-14,9	25,7
FLQI101	CTcellU2B5wetS	33,5	22,0	6,1	-2,3	-5,2	-7,2	-9,4	-14,7	-40,8	1,3
FLQI103	CTcellU2B5wetN	16,1	7,8	-6,5	-3,0	-3,9	-9,9	-13,6	-19,8	-49,5	-3,4
FLQI106	CTcellU2B4wetS	31,9	20,5	5,8	-2,3	-5,1	-7,0	-9,2	-14,2	-39,6	0,7
FLQI108	CTcellU2B4wetN	15,7	7,7	-6,9	-2,5	-6,1	-11,1	-14,7	-20,8	-49,7	-4,5
FLQI111	CTcellU2B3wetS	32,7	21,3	5,9	-3,4	-6,5	-7,8	-9,8	-14,7	-39,2	0,6
FLQI113	CTcellU2B3wetN	16,1	7,2	-7,4	0,7	-3,3	-8,3	-11,8	-17,7	-46,0	-1,8
FLQI116	CTcellU2B2wetS	33,0	21,5	6,1	-3,3	-6,3	-7,5	-9,4	-14,1	-38,0	0,9
FLQI118	CTcellU2B2wetN	17,4	6,9	-7,1	0,7	-3,2	-7,8	-11,0	-16,7	-44,2	-1,5
FLQI121	CTcellU2B1wetS	33,2	21,8	7,0	0,1	-3,2	-5,4	-7,5	-12,2	-35,7	2,3
FLQI123	CTcellU2B1wetN	16,5	6,0	-7,2	0,5	-3,0	-8,6	-11,5	-17,0	-43,7	-1,7
FLQI126	CTcellU2A1wetS	33,4	22,2	7,8	1,5	-1,7	-4,1	-6,3	-10,8	-33,6	3,3
FLQI128	CTcellU2A1wetN	15,8	4,4	-8,4	0,7	-0,9	-7,0	-10,2	-15,6	-42,2	-0,3
FLQI131	CTcellU2A2wetS	33,6	22,4	8,0	1,2	-1,9	-4,0	-6,1	-10,4	-32,4	3,4
FLQI133	CTcellU2A2wetN	16,6	5,4	-9,5	7,3	4,6	-1,1	-6,4	-14,2	-41,1	5,1
FLQI136	CTcellU2A3wetS	35,0	24,1	10,2	3,0	-0,2	-3,4	-5,8	-9,9	-31,3	4,6
FLQI138	CTcellU2A3wetN	16,5	6,0	-8,7	11,5	10,5	7,2	4,6	-0,5	-26,1	12,4
FLQI141	CTcellU2A4wetS	37,7	28,7	17,2	12,1	11,3	7,9	5,4	1,2	-19,9	14,0
FLQI143	CTcellU2A4wetN	16,3	5,8	-8,8	8,6	7,6	4,4	1,8	-3,2	-28,3	9,6
FLQI146	CTcellU2A5wetS	37,9	28,8	17,2	12,0	10,7	7,0	4,1	-0,6	-21,8	13,3
FLQI148	CTcellU2A5wetN	17,7	7,1	-7,1	-12,7	-13,0	-16,2	-18,5	-22,5	-43,9	-9,8
FLQI151	CTcellU1B5wetS	31,3	24,0	10,6	3,5	0,2	-4,4	-8,5	-15,5	-44,5	3,9
FLQI153	CTcellU1B5wetN	14,7	6,8	-7,6	-14,8	-16,4	-19,9	-23,0	-30,0	-60,8	-12,8
FLQI156	CTcellU1B4wetS	32,4	25,1	11,9	4,9	1,7	-2,9	-7,1	-14,2	-42,7	5,2
FLQI158	CTcellU1B4wetN	13,9	6,0	-7,5	-13,1	-14,3	-17,8	-20,8	-27,7	-57,9	-11,5
FLQI161	CTcellU1B3wetS	32,0	24,7	11,1	3,6	0,0	-4,4	-8,2	-14,8	-42,3	4,2
FLQI163	CTcellU1B3wetN	15,2	5,2	-9,3	-14,5	-15,6	-19,0	-21,9	-28,1	-56,7	-12,6
FLQI166	CTcellU1B2wetS	32,3	24,8	11,6	4,8	1,8	-2,8	-7,0	-14,0	-41,1	5,1
FLQI168	CTcellU1B2wetN	12,6	4,8	-9,7	-15,3	-16,4	-19,9	-23,0	-29,6	-58,3	-13,4
FLQI171	CTcellU1B1wetS	33,3	23,3	8,2	0,1	-2,6	-5,5	-8,2	-13,7	-39,8	2,7
FLQI173	CTcellU1B1wetN	13,9	5,8	-8,7	-13,7	-14,8	-17,9	-21,0	-27,7	-55,8	-11,8
FLQI176	CTcellU1A1wetS	33,7	23,4	8,2	0,6	-2,8	-5,5	-7,9	-13,2	-38,7	2,8
FLQI178	CTcellU1A1wetN	13,8	5,5	-9,0	-13,9	-15,0	-17,9	-20,9	-27,2	-54,4	-11,9
FLQI181	CTcellU1A2wetS	34,1	23,3	7,7	-0,2	-2,9	-4,8	-7,1	-12,3	-37,4	3,0
FLQI183	CTcellU1A2wetN	14,7	6,7	-7,7	-12,8	-13,9	-16,9	-20,0	-26,2	-52,6	-10,8
FLQI186	CTcellU1A3wetS	34,7	23,4	7,6	-1,0	-2,8	-4,4	-6,6	-11,5	-35,8	3,2
FLQI188	CTcellU1A3wetN	14,5	3,4	-9,5	-15,6	-16,6	-19,3	-22,3	-28,1	-53,8	-13,3
FLQI191	CTcellU1A4wetS	38,1	27,9	14,7	9,0	7,7	4,2	1,5	-3,6	-27,7	10,8
FLQI193	CTcellU1A4wetN	14,4	2,7	-8,5	-14,3	-14,1	-17,4	-20,2	-25,6	-50,8	-11,6
FLQI196	CTcellU1A5wetS	38,5	28,9	16,6	11,4	10,4	7,2	4,6	-0,2	-23,6	13,3
FLQI198	CTcellU1A5wetN	15,8	4,3	-8,2	-14,9	-15,4	-18,8	-21,4	-26,5	-50,9	-12,3
FLQI001	CTcellU4B5wetS	37,2	28,5	17,5	8,2	10,9	12,1	9,8	5,5	-16,9	16,4
FLQI003	CTcellU4B5wetN	19,6	6,9	-8,9	-16,8	-5,5	-10,5	-13,7	-18,8	-43,9	-4,9
FLQI006	CTcellU4B4wetS	37,5	28,8	17,8	8,4	11,3	12,5	10,3	6,2	-15,3	16,8
FLQI008	CTcellU4B4wetN	21,1	9,7	-5,7	-13,1	-3,8	-9,9	-10,5	-15,7	-40,6	-3,0
FLQI011	CTcellU4B3wetS	37,8	29,1	18,1	8,7	11,6	12,9	10,7	6,9	-13,8	17,3
FLQI013	CTcellU4B3wetN	21,5	10,4	-4,6	-11,2	-3,6	-7,9	-10,3	-15,1	-38,8	-2,3
FLQI016	CTcellU4B2wetS	38,2	29,5	18,5	9,0	12,0	13,3	11,2	7,6	-12,2	17,7
FLQI018	CTcellU4B2wetN	21,5	10,2	-5,0	-11,9	0,1	-3,4	-6,8	-11,4	-34,4	1,4
FLQI021	CTcellU4B1wetS	38,5	29,8	18,8	9,3	12,3	13,7	11,6	8,2	-10,7	18,1
FLQI023	CTcellU4B1wetN	21,6	10,4	-4,9	-11,7	6,6	1,3	-3,3	-10,0	-33,8	6,4
FLQI026	CTcellU4A1wetS	38,9	30,2	19,2	9,6	12,7	14,1	12,1	8,9	-9,1	18,6
FLQI028	CTcellU4A1wetN	21,9	10,8	-3,9	-10,1	12,1	9,0	6,6	2,6	-18,7	13,8
FLQI031	CTcellU4A2wetS	39,3	30,6	19,6	9,9	13,1	14,5	12,6	9,6	-7,6	19,1
FLQI033	CTcellU4A2wetN	22,0	11,0	-3,8	7,4	12,4	9,2	7,0	3,1	-17,6	14,3
FLQI036	CTcellU4A3wetS	39,7	31,0	20,0	10,2	13,5	14,9	13,1	10,4	-6,0	19,5
FLQI038	CTcellU4A3wetN	22,1	11,0	-4,0	10,5	12,6	9,5	7,2	3,3	-16,8	14,6
FLQI041	CTcellU4A4wetS	40,1	31,4	20,4	10,6	13,9	15,3	13,6	11,1	-4,5	20,0
FLQI043	CTcellU4A4wetN	22,8	12,0	-3,7	-10,8	-11,0	-13,2	-15,0	-17,9	-34,8	-6,4
FLQI046	CTcellU4A5wetS	40,5	31,8	20,8	11,0	14,3	15,7	14,1	11,8	-2,9	20,5
FLQI048	CTcellU4A5wetN	25,7	15,1	0,4	-6,5	-7,8	-10,0	-11,8	-14,4	-30,4	-3,1

FLQi051	CTcellU3B5wetS		36,2	24,8	9,0	0,8	-2,6	-5,8	-8,0	-12,7	-36,8	3,8
FLQi053	CTcellU3B5wetN		17,0	5,0	-9,5	-15,1	-1,0	-6,2	-10,0	-15,6	-42,8	-0,9
FLQi056	CTcellU3B4wetS		36,5	25,0	8,2	-1,7	-5,2	-7,4	-9,4	-13,9	-37,1	3,1
FLQi058	CTcellU3B4wetN		19,1	7,8	-6,6	-11,4	-2,4	-7,6	-11,1	-16,4	-42,5	-2,1
FLQi061	CTcellU3B3wetS		37,0	25,5	8,3	-1,9	-5,0	-7,1	-9,0	-13,3	-35,7	3,5
FLQi063	CTcellU3B3wetN		19,2	8,5	-5,9	-10,7	-4,5	-9,7	-12,9	-18,0	-42,9	-3,9
FLQi066	CTcellU3B2wetS		37,8	26,4	8,9	-1,4	-4,6	-6,8	-8,7	-12,8	-34,4	4,2
FLQi068	CTcellU3B2wetN		16,9	6,2	-8,4	-1,5	-2,5	-6,9	-10,0	-15,2	-40,5	-1,2
FLQi071	CTcellU3B1wetS		38,8	27,6	10,2	-0,5	-3,5	-5,7	-8,2	-12,2	-33,0	5,3
FLQi073	CTcellU3B1wetN		20,6	9,9	-5,7	1,4	-0,9	-5,4	-8,1	-13,0	-37,2	0,7
FLQi076	CTcellU3A1wetS		40,3	29,5	12,2	3,5	0,4	-2,7	-5,7	-10,1	-30,6	7,5
FLQi078	CTcellU3A1wetN		21,5	11,0	-4,0	6,1	3,0	-2,1	-6,4	-12,4	-36,0	4,1
FLQi081	CTcellU3A2wetS		35,6	25,2	11,4	5,2	1,8	-1,7	-4,5	-8,4	-28,3	6,1
FLQi083	CTcellU3A2wetN		21,6	11,4	-3,5	12,3	11,3	8,2	5,7	1,2	-22,0	13,4
FLQi086	CTcellU3A3wetS		40,8	30,9	17,2	10,9	10,0	6,7	4,1	0,3	-19,0	13,3
FLQi088	CTcellU3A3wetN		20,8	10,8	-3,4	12,5	11,7	8,4	6,0	1,5	-21,2	13,7
FLQi091	CTcellU3A4wetS		41,7	31,8	18,8	12,9	12,4	9,1	6,6	2,9	-15,7	15,4
FLQi093	CTcellU3A4wetN		20,4	10,4	-3,9	9,7	8,8	5,6	3,3	-1,0	-23,1	10,9
FLQi096	CTcellU3A5wetS		40,9	31,1	18,5	12,6	11,7	7,9	5,0	0,7	-18,1	14,4
FLQi098	CTcellU3A5wetN		21,4	11,2	-3,5	-9,8	-10,4	-12,5	-14,4	-17,7	-36,1	-6,2
Total noise impact level (linear)		-68,3	60,1	54,5	47,4	39,3	41,9	37,4	30,9	25,6	4,4	
Total noise impact level (A-weighted)		-125,0	20,7	28,3	31,3	30,7	38,7	37,4	32,1	26,6	3,3	42,6